

Januari 2019

# Handleiding *therascreen*<sup>®</sup> EGFR RGQ PCR-kit



Versie 2



Voor in-vitrodiagnostisch gebruik

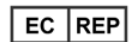
Voor gebruik met Rotor-Gene<sup>®</sup> Q MDx-instrumenten



874111



QIAGEN Manchester Ltd Skelton House, Lloyd Street North,  
Manchester, M15 6SH, VK



QIAGEN GmbH, QIAGEN Strasse 1,  
40724 Hilden, DUITSLAND



1116287NL



# Inhoud

Beoogd gebruik.....	6
Samenvatting en uitleg .....	7
Uitgangspunt van de procedure.....	9
Meegeleverde materialen .....	14
Inhoud van de kit.....	14
Benodigde maar niet meegeleverde materialen .....	15
Waarschuwingen en voorzorgsmaatregelen .....	17
Algemene voorzorgsmaatregelen .....	17
Opslag en verwerking reagentia .....	19
Verzendomstandigheden.....	19
Opslagomstandigheden .....	19
Opslag en verwerking van monsters .....	20
Procedure .....	21
Extractie en voorbereiding van DNA .....	21
Protocol: monsterbeoordeling.....	22
Protocol: detectie van EGFR-mutaties.....	35
Interpretatie van de resultaten (automatisch).....	48
Waarschuwingsberichten Rotor-Gene Q <i>therascreen</i> EGFR Assay Package .....	49
Problemen oplossen .....	55
Kwaliteitscontrole.....	56
Beperkingen.....	56
Prestatiekenmerken .....	57

Analyseprestaties .....	57
Blanco bovengrens (limit of blank, LOB), werkbereik en limietwaarden.....	57
Effect van DNA in het uitgangsmateriaal op de $\Delta C_T$ -waarden .....	58
Kruisreactiviteit.....	59
Nauwkeurigheid: vergelijking met de analytische referentiemethode .....	60
Waarden voor de detectielimiet (LOD) .....	61
Verstoring.....	63
Reproduceerbaarheid .....	64
Klinische prestaties.....	67
Klinische uitkomstgegevens: GIOTRIF® .....	67
Klinische uitkomstgegevens: IRESSA® .....	69
Referenties .....	72
Symbolen .....	74
Appendix A: Protocol voor handmatige analyse met de <i>therascreen</i> EGFR RGQ PCR-kit....	75
Algemene informatie.....	75
Protocol: een temperatuurprofiel aanmaken .....	75
Procedure (handmatig) .....	86
Protocol: monsterbeoordeling (handmatig).....	86
Protocol: detectie van EGFR-mutaties (handmatig).....	86
Protocol: opzetten <i>therascreen</i> EGFR RGQ PCR-kit Rotor-Gene Q .....	87
Interpretatie van de resultaten (handmatig) .....	92
Software-instellingen voor analyse .....	92
Gegevensanalyse van monsterbeoordelingen .....	93
Gegevensanalyse voor detectie van EGFR-mutaties.....	95

---

Appendix B: Installatie van het <i>therascreen</i> EGFR CE Assay Package.....	103
Contactgegevens .....	106
Bestelgegevens.....	107
Revisiegeschiedenis handleiding.....	109

---

# Beoogd gebruik

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit is een in-vitrodiagnostische test voor de detectie van 29 somatische mutaties in het EGFR-gen. Deze biedt de mogelijkheid tot kwalitatieve beoordeling van de mutatiestatus in tumormonsters van patiënten met niet-kleincellig longcarcinoom (non-small cell lung cancer, NSCLC).

De resultaten zijn bedoeld als hulp voor de clinicus bij het identificeren van patiënten met NSCLC die baat zouden kunnen hebben bij een behandeling met EGFR-tyrosinekinaseremmers.

Met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit kunnen DNA-monsters worden getest die zijn geëxtraheerd uit met formaline gefixeerd, in paraffine ingebed (formalin-fixed, paraffin embedded, FFPE) tumorweefsel van NSCLC-patiënten en zijn verwerkt op een Rotor-Gene Q MDx-instrument. De kit dient te worden gebruikt door daartoe opgeleid personeel in een professionele laboratoriumomgeving.

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit is bedoeld voor gebruik voor in-vitrodiagnostiek.

# Samenvatting en uitleg

Mutaties van het EGFR-*oncogen* worden aangetroffen in kanker bij mensen (1, 2). De aanwezigheid van deze mutaties hangt samen met de respons op bepaalde behandelingen met tyrosinekinaseremmers (tyrosine kinase inhibitor, TKI's) bij patiënten met niet-kleincellig longcarcinoom (NSCLC) (3–8). Dergelijke mutaties in het EGFR-*oncogen* zijn in de algemene populatie patiënten met NSCLC aanwezig bij ongeveer 10% van de patiënten uit de VS, Europa of Australië en tot 30% van de patiënten uit Japan en Taiwan (1, 2, 9).

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit is een gebruiksklare kit voor de detectie van 29 mutaties in het kankergerelateerde EGFR-gen met behulp van de polymerasekettingreactie (polymerase chain reaction, PCR) op een Rotor-Gene Q MDx-instrument.

Door de toepassing van Scorpions® (10) en ARMS (Amplification Refractory Mutation System)-technologieën (11) kunnen met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit 29 mutaties worden gedetecteerd in de exons 18, 19, 20 en 21 van het EGFR-*oncogen* tegen een achtergrond van wild-type genomisch DNA tabel 1. Samengevat:

- 19 deleties in exon 19 (detecteert de aanwezigheid van elk van de 19 deleties, maar maakt er geen onderscheid tussen)
- Drie inserties in exon 20 (detecteert de aanwezigheid van elk van de drie inserties, maar maakt er geen onderscheid tussen)
- G719X (detecteert de aanwezigheid van G719S, G719A of G719C, maar maakt er geen onderscheid tussen)
- S768I
- T790M
- L858R
- L861Q

De gebruikte methoden zijn zeer selectief en maken het mogelijk om, afhankelijk van de totale hoeveelheid aanwezig DNA, een laag percentage mutant DNA te detecteren tegen een achtergrond van wild-type genomisch DNA. Deze selectiviteit en detectielimieten zijn superieur aan die van technologieën als dye terminator sequencing.

**Tabel 1. Overzicht van mutaties en ID-nummers in COSMIC**

Exon	Mutatie	ID-nummer COSMIC*	Baseverandering
18	G719A	6239	2156G>C
	G719S	6252	2155G>A
	G719C	6253	2155G>T
19	Deleties	12384	2237_2255>T
		12387	2239_2258>CA
		12419	2238_2252>GCA
		12422	2238_2248>GC
		13551	2235_2252>AAT
		12678	2237_2251del15
		6218	2239_2247del9
		12728	2236_2253del18
		12367	2237_2254del18
		6210	2240_2251del12
		6220	2238_2255del18
		6223	2235_2249del15
		6225	2236_2250del15
		6254	2239_2253del15
		6255	2239_2256del18
		12369	2240_2254del15
		12370	2240_2257del18
		12382	2239_2248TTAAGAGAAG>C
		12383	2239_2251>C

\* COSMIC: Catalogue of somatic mutations in cancer: <http://cancer.sanger.ac.uk/>.



Tabel 1 - vervolg Overzicht van mutaties en ID-nummers in COSMIC

Exon	Mutatie	ID-nummer COSMIC*	Baseverandering
20	S768I	6241	2303G>T
	Inserties	12376	2307_2308insGCCAGCGTG
		12378	2310_2311insGGT
		12377	2319_2320insCAC
	T790M	6240	2369C>T
21	L858R	6224	2573T>G
	L861Q	6213	2582T>A

\* COSMIC: Catalogue of somatic mutations in cancer: <http://cancer.sanger.ac.uk/>.

## Uitgangspunt van de procedure

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit omvat acht afzonderlijke PCR-reactiemengsels voor amplificatie: zeven mutatie-specifieke reacties in de exons 18, 19, 20 en 21 van het EGFR-oncogen en een wild-type controle in exon 2. De belangrijkste componenten van de kit worden hieronder besproken.

### ARMS

Allel- of mutatiespecifieke amplificatie wordt uitgevoerd door middel van ARMS. *Taq* DNA-polymerase (*Taq*) maakt effectief onderscheid tussen een exact gelijke sequentie (match) en een sequentie die niet exact gelijk is (mismatch) aan het 3'-uiteinde van een PCR-primer. Specifieke gemuteerde sequenties worden selectief geamplificeerd, zelfs in monsters waarin de mutatie niet voorkomt op het merendeel van de sequenties. Wanneer de primer volledig overeenkomt, verloopt de amplificatie met optimale efficiëntie. Wanneer de 3'-base niet exact overeenkomt, vindt alleen zwakke achtergrondamplificatie plaats.

## Scorpions

De detectie van de amplificatie gebeurt door middel van zogenaamde Scorpions. Scorpions zijn bifunctionele moleculen die een PCR-primer bevatten die covalent gebonden is aan een probe. De fluorofoor in de probe heeft interactie met een quencher (eveneens in de probe opgenomen) die de fluorescentie onderdrukt. Tijdens de PCR bindt de probe aan het amplicon. De fluorofoor en de quencher worden dan van elkaar gescheiden met als gevolg een detecteerbare toename van de fluorescentie.

## Waaruit bestaat de kit?

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit bestaat uit acht assays:

- Eén controle-assay (CTRL)
- Zeven mutatie-assays

Alle reactiemengsels bevatten reagentia voor de detectie van doelsequenties die zijn gelabeld met carboxyfluoresceïne (FAM™) en een interne-controle-assay die is gelabeld met hexachlorofluoresceïne (HEX™). De interne controle-assay kan de aanwezigheid detecteren van remmers die kunnen leiden tot fout-negatieve resultaten. De FAM-amplificatie is sterker dan de amplificatie van de interne controle; de interne controle is uitsluitend bedoeld ter bevestiging dat er daadwerkelijk sprake is van een negatief resultaat waarbij geen FAM-amplificatie heeft plaatsgevonden, en niet van een mislukte PCR-reactie.

## Assays

De procedure van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit bestaat uit twee stappen. In de eerste stap wordt de controle-assay uitgevoerd ter beoordeling van het totale amplificeerbare EGFR-DNA in een monster. In de tweede stap worden zowel de mutatie- als de controle-assay uitgevoerd om de aan- of afwezigheid van mutant DNA vast te stellen.

## Controle-assay

De controle-assay, gelabeld met FAM, wordt gebruikt ter beoordeling van het totale amplificeerbare EGFR-DNA in een monster. Met de controle-assay wordt een gebied van exon 2 van het EGFR-gen geamplificeerd. De primers en de Scorpion-probe zijn zo ontwikkeld dat alle bekende EGFR-polymorfismen worden vermeden.

## Mutatie-assays

Iedere mutatie-assay bevat een Scorpion-probe gelabeld met FAM en een ARMS-primer om onderscheid te maken tussen wild-type DNA en DNA met een specifieke mutatie.

## Controles

**Opmerking:** in alle experimentele runs moeten positieve en negatieve controles worden opgenomen.

### Positieve controle

In elke run moet in buisjes 1-8 een positieve controle aanwezig zijn. De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit bevat een positieve controle voor EGFR (Positive Control, PC) als template-DNA voor de positieve-controlereactie. De resultaten van de positieve controle worden gebruikt om te beoordelen of de kit voldoet aan de gestelde aanvaardbaarheidscriteria.

### Negatieve controle

In elke run moet een negatieve controle aanwezig zijn (controle zonder template: NTC) in de buisjes 9–16. De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit bevat water waarmee de NTC kan worden gebruikt als 'template' voor de controle zonder template. De controle zonder template wordt gebruikt om te controleren of er eventuele contaminatie is opgetreden tijdens het opzetten van de run en ter beoordeling van de werking van de interne controlereactie.

## Beoordeling van de interne controlereactie

Ieder reactiemengsel bevat behalve de reagentia voor de doelreactie ook een interne controle (internal control, IC). Als er een fout optreedt, kan dat een teken zijn dat er remmende stoffen aanwezig zijn waardoor de resultaten niet kloppen, of dat er bij het opzetten van de reactie iets fout is gegaan bij het betreffende buisje. De IC bevat een niet-EGFR-gerelateerde oligonucleotide-doelsequentie, een niet gelabelde primer en een Scorpions-primer die is gelabeld met HEX om deze te onderscheiden van de met FAM gelabelde Scorpions in het controlemengsel en de mutatiereactiemengsels. De FAM-amplificatie is sterker dan de IC-amplificatie, waardoor de voor de IC gegenereerde  $C_T$  (HEX)-waarde buiten het gespecificeerde bereik kan vallen. De FAM-resultaten zijn nog wel geldig voor deze monsters.

## Monsterbeoordeling

Het wordt ten sterkste aangeraden om het controlereactiemengsel (CTRL) in de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit te gebruiken ter beoordeling van het totale aanwezige amplificeerbare EGFR-DNA in een monster. Met de controle-assay wordt een gebied van exon 2 van het EGFR-gen geamplificeerd. Aanbevolen wordt om monsters op te zetten met alleen de controle-assay, met de PC voor EGFR als positieve controle en water als 'template' voor de controle zonder template.

**Opmerking:** de beoordeling van het aanwezige DNA gebeurt op basis van de PCR en kan afwijken van kwantificering op basis van absorptiemetingen. Er is extra controlereactiemengsel (buis CTRL) aanwezig om vóór analyse met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit de kwaliteit en kwantiteit van het DNA in monsters te bepalen.

## Platform en software

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit is specifiek ontworpen voor gebruik met Rotor-Gene Q MDx-instrumenten. Het Rotor-Gene Q MDx-instrument is geprogrammeerd voor verschillende cyclusparameters, ook wel 'runs' genoemd, door het *therascreen* EGFR CE Assay Package.

---

Het *therascreen* EGFR CE Assay Package bevat twee templates: de 'therascreen EGFR CE Control Run Locked Template' (voor monsterbeoordeling) en de 'therascreen EGFR CE Locked Template' (voor de detectie van EGFR-mutaties). Deze templates bevatten de PCR-runparameters en berekenen de resultaten.

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit kan ook worden gebruikt met Rotor-Gene Q-software versie 2.3 in de open modus (d.w.z. zonder het Rotor-Gene Q *therascreen* EGFR CE Assay Package te gebruiken). Zie 'Appendix A: *Protocol* voor handmatige analyse met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit' op pagina 75 voor meer informatie.

# Meegeleverde materialen

## Inhoud van de kit

<b>therascreen EGFR RGQ PCR Kit</b>				<b>(24)</b>
<b>Catalogusnr.</b>				<b>874111</b>
<b>Aantal reacties</b>				<b>24</b>
<b>Kleur</b>	<b>Identiteit</b>	<b>ID op buis</b>		<b>Volume</b>
Rood	Control Reaction Mix (Controlereactiemengsel)	1	CTRL	2 x 600 µl
Paars	T790M Reaction Mix (T790M-reactiemengsel)	2	T790M	600 µl
Oranje	Deletions Reaction Mix (Deletie-reactiemengsel)	3	Del	600 µl
Roze	L858R Reaction Mix (L858R-reactiemengsel)	4	L858R	600 µl
Groen	L861Q Reaction Mix (L861Q-reactiemengsel)	5	L861Q	600 µl
Geel	G719X Reaction Mix (G719X-reactiemengsel)	6	G719X	600 µl
Grijs	S768I Reaction Mix (S768I-reactiemengsel)	7	S768I	600 µl
Blauw	Insertions Reaction Mix (Insertie-reactiemengsel)	8	Ins	600 µl
Beige	EGFR Positive Control (Positieve controle voor EGFR)	9	PC	300 µl
Mintgroen	Taq DNA Polymerase (Taq DNA-polymerase)	Taq	2 x 80 µl	2 x 80 µl
Wit	Nucleasevrij water voor controle zonder template	NTC	1,9 ml	1,9 ml
Wit	Nucleasevrij water voor verdunning	Dil.	1,9 ml	1,9 ml
therascreen EGFR RGQ PCR Kit Handbook (Handleiding therascreen EGFR RGQ PCR-kit)				1

# Benodigde maar niet meegeleverde materialen

Draag bij het werken met chemicaliën altijd een geschikte laboratoriumjas, wegwerphandschoenen en een veiligheidsbril. Raadpleeg voor meer informatie de desbetreffende veiligheidsinformatiebladen (VIB of SDS) die bij de leveranciers van de producten verkrijgbaar zijn.

## Reagentia

- Kit voor DNA-extractie (zie 'Extractie en voorbereiding van DNA' op pagina 21)

## Verbruiksartikelen en algemene laboratoriumuitrusting

- Pipetten\* (instelbaar) specifiek voor monsterbereiding
- Pipetten (instelbaar)\* specifiek voor bereiding van de PCR-mastermix
- Pipetten (instelbaar)\* specifiek voor het toevoegen van template-DNA
- DNase-, RNase- en DNA-vrije pipettips met filter (pipettips met aerosolbarrières worden aanbevolen ter voorkoming van kruiscontaminatie)
- Stripbuisjes met dopjes, 0,1 ml, voor gebruik met rotor met 72 plaatsen (cat.nr. 981103 of 981106)
- DNase-, RNase- en DNA-vrije microcentrifugebuisjes voor de bereiding van mastermixen
- Laadblok voor 72 buisjes van 0,1 ml, aluminium blok voor handmatig opzetten van de reactie met een 1-kanaals pipet (cat.nr. 9018901)
- Thermomixer\*, schudapparaat met verwarming\*, verwarmingsblok\* of waterbad\* geschikt voor incubatie bij 90 °C
- Tafelcentrifuge\* met rotor voor reagensbuisjes van 2 ml
- Vortexmixer\*

\* Zorg ervoor dat instrumenten en apparaten zijn gecontroleerd en gekalibreerd volgens de aanbevelingen van de fabrikant.

## Apparatuur voor PCR

- Rotor-Gene Q MDx-instrument met fluorescentiekanalen voor Cycling Green en Cycling Yellow (detectie van respectievelijk FAM en HEX) \*†
- Rotor-Gene Q-software versie 2.3
- Cd met Rotor-Gene Q *therascreen* EGFR CE Assay Package, versie 3.0.5 (cat. nr. 9023537)

**Opmerking:** voor de Rotor-Gene Q *therascreen* EGFR CE Assay Package-software is softwareversie 2.3 van Rotor-Gene Q nodig.

\* Zorg ervoor dat instrumenten en apparaten zijn gecontroleerd en gekalibreerd volgens de aanbevelingen van de fabrikant.

† Indien van toepassing kan in sommige landen de Rotor-Gene Q 5plex HRM met een productiedatum vanaf mei 2011 worden gebruikt. De productiedatum kunt u afleiden uit het serienummer aan de achterzijde van het apparaat. Het serienummer heeft de vorm 'mmjjnnnn', waarbij 'mm' staat voor de cijfers van de productiemaand, 'jj' voor de laatste twee cijfers van het productiejaar en 'nnn' de unieke identificatiecode van het apparaat is.



# Waarschuwingen en voorzorgsmaatregelen

Voor in-vitrodiagnostisch gebruik

Draag bij het werken met chemicaliën altijd een geschikte laboratoriumjas, wegwerphandschoenen en een veiligheidsbril. Raadpleeg voor meer informatie de desbetreffende veiligheidsinformatiebladen. Deze zijn als handige, compacte PDF-bestanden online beschikbaar op [www.qiagen.com/safety](http://www.qiagen.com/safety). Hier kunt u ook het VIB voor elke QIAGEN-kit en elke component van de kit vinden, bekijken en afdrucken.

Raadpleeg voor veiligheidsinformatie over het Rotor-Gene Q-instrument de gebruikershandleiding bij het instrument.

Gooi monster- en assayafval weg in overeenstemming met de plaatselijke veiligheidsvoorschriften.

## Algemene voorzorgsmaatregelen

Besteed altijd aandacht aan het volgende:

- De test is bedoeld voor FFPE-monsters van NSCLC-weefsel.
- Positieve materialen (monsters en positieve controles) dienen apart van alle andere reagentia te worden opgeslagen en geëxtraheerd en in een afgescheiden ruimte aan het reactiemengsel te worden toegevoegd.
- Werk buitengewoon zorgvuldig om besmetting van PCR-materiaal met synthetisch controlemateriaal te voorkomen. Wij raden aan om voor het opzetten van reactiemengsels en het toevoegen van DNA-template gebruik te maken van afzonderlijke pipetten die nergens anders voor worden gebruikt. Het bereiden en pipetteren van reactiemengsels moet worden uitgevoerd in een ruimte die gescheiden is van die waar de template wordt toegevoegd. Open de Rotor-Gene Q-buisjes na afloop van de PCR-reactie niet. Zo voorkomt u contaminatie van het laboratorium met producten die tijdens PCR zijn gevormd.

- Alle chemische en biologische materialen zijn potentieel gevaarlijk. Monsters zijn potentieel besmettelijk en dienen als biologisch gevaarlijk materiaal te worden behandeld.
- De reagentia voor de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit worden geleverd in de optimale verdunning. Verdun reagentia niet nog verder, want dit kan leiden tot verminderde prestaties. Gebruik geen reactievolumes (reactiemengsel plus monster) van minder dan 25 µl; een te klein reactievolume leidt tot een hoger risico op fout-negatieve resultaten.
- Alle reagentia die worden geleverd in de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit zijn uitsluitend bedoeld voor gebruik met de andere reagentia in dezelfde *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit. Vervang de reagentia in de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit niet en gebruik ze niet voor andere *therascreen* EGFR RGQ PCR-kits, aangezien dit de prestaties kan verminderen.
- Gebruik alleen de *Taq* DNA-polymerase (buis *Taq*) in de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit. Vervang deze niet door *Taq* DNA-polymerase uit andere kits van dezelfde of een andere soort, of door *Taq* DNA-polymerase van een andere leverancier.
- Gebruik geen componenten waarvan de vervaldatum is verstreken of die onjuist zijn bewaard.

**Opmerking:** voor het correct testen van de monsters moet er uiterst zorgvuldig worden gewerkt, waarbij specifiek wordt gelet op het voorkomen van een verkeerde invoer van monsters, fouten bij het laden en fouten met pipetteren.

**Opmerking:** de reagentia zijn gevalideerd voor handmatig opzetten. Bij gebruik van een geautomatiseerde methode kunnen er mogelijk minder reacties worden uitgevoerd, omdat er op deze instrumenten reagens nodig is om 'dood volume' te vullen.

# Opslag en verwerking reagentia

## Verzendomstandigheden

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit wordt op droogijs verzonden en moet bij aankomst nog steeds bevroren zijn. Als de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit bij aankomst niet bevroren is, als de buitenverpakking tijdens het vervoer open is gemaakt of als de zending geen pakbon, handleiding of reagentia bevat, neemt u contact op met de technische dienst van QIAGEN of uw lokale distributeur (zie achterzijde of ga naar [www.qiagen.com](http://www.qiagen.com)).

## Opslagomstandigheden

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit moet direct na ontvangst worden opgeslagen bij een temperatuur van -30 °C tot -15 °C in een vriezer met een constante temperatuur. Ook moet de kit worden beschermd tegen licht. Scorpions moeten (zoals alle fluorescent gelabelde moleculen) worden beschermd tegen licht om fotobleken en prestatieverlies te voorkomen. Als de kit in de oorspronkelijke verpakking wordt bewaard bij de aanbevolen opslagomstandigheden, is deze stabiel tot de uiterste gebruiksdatum op het etiket. Herhaaldelijk invriezen en ontdooien moet worden vermeden. Er wordt een maximum aanbevolen van acht vries-dooicycli.

De reagentia moeten worden ontdooid bij kamertemperatuur (15–25 °C) gedurende ten minste 1 uur en ten hoogste 4,5 uur. Als de reagentia klaar zijn voor gebruik, kunnen de PCR-reacties worden opgezet en moeten de Rotor-Gene Q-buizen met de mastermixen en het DNA-monster onmiddellijk in een Rotor-Gene Q MDx-instrument worden geladen. De totale tijd vanaf het begin van het opzetten van PCR tot het begin van de run mag niet langer zijn dan:

- 6 uur indien bewaard bij kamertemperatuur

**Opmerking:** deze tijd omvat zowel het opzetten van de PCR als de opslag.

- 18 uur indien bewaard in de koelkast (2–8 °C)

**Opmerking:** deze tijd omvat zowel het opzetten van de PCR als de opslag.

**Opmerking:** voor optimale activiteit en prestaties moeten Scorpions (net als alle met een fluorofoor gelabelde moleculen) worden beschermd tegen licht om fotobleken te voorkomen.

**Opmerking:** om de reagentia uit de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit optimaal te benutten, kunnen de monsters het beste in batches worden verwerkt. Voor het afzonderlijk testen van monsters worden meer reagentia verbruikt, waardoor er minder monsters kunnen worden getest met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit.

## Opslag en verwerking van monsters

**Opmerking:** alle monsters dienen te worden behandeld als potentieel besmettelijk materiaal.

Monstermateriaal moet humaan genomisch DNA zijn dat is geëxtraheerd uit FFPE-weefsel. Monsters dienen te worden vervoerd volgens de standaardmethoden voor pathologiemateriaal om de monsterkwaliteit te waarborgen.

Tumormonsters zijn niet-homogeen; gegevens afkomstig uit een bepaald tumormonster zijn daardoor niet altijd identiek aan die van andere coupes van dezelfde tumor. Tumormonsters kunnen ook niet-tumorweefsel bevatten. Naar verwachting zal DNA uit niet-tumorweefsel geen mutaties bevatten die met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit worden gedetecteerd.

Preparatie van weefselmonsters voor DNA-extractie:

- Gebruik standaardmaterialen en -methoden voor het fixeren van het weefselmonster in 10% neutraal gebufferde formaline (NBF, neutral buffered formalin) en het inbedden van het weefselmonster in paraffine. Snij met behulp van een microtoom seriecoupes van 5 µm van het paraffineblok en plaats deze op objectglasjes.

- Laat een daartoe opgeleide persoon (bijvoorbeeld een patholoog) een met hematoxilyne en eosine (H&E) gekleurde coupe beoordelen om te bevestigen dat er tumorweefsel aanwezig is.
- De gekeurde coupes moeten niet worden gebruikt voor DNA-extractie.
- Bewaar alle FFPE-blokken en objectglazen bij kamertemperatuur (15–25 °C). Objectglazen kunnen tot 1 maand voorafgaand aan DNA-extractie bij omgevingstemperatuur worden bewaard.

## Procedure

### Extractie en voorbereiding van DNA

De prestatiekenmerken voor deze kit zijn verkregen met DNA dat is geëxtraheerd met de QIAamp DSP DNA FFPE-weefselkit (cat. nr. 60404). Indien deze kit beschikbaar is in uw land, dient u deze te gebruiken voor het voorbereiden van DNA. Als de functioneel gelijkwaardige QIAamp DNA FFPE-weefselkit (cat. nr. 56404) wordt gebruikt, voert u de DNA-extractie uit volgens de instructies in de handleiding. **Let daarbij op het volgende:**

- Gebruik geen Deparaffinization Solution van QIAGEN. Gebruik alleen de xyleen/ethanolmethode voor deparaffinisatie beschreven in de *Handleiding voor de QIAamp DNA FFPE-weefselkit (QIAamp DNA FFPE Tissue Kit Handbook)*.
- Zorg ervoor dat bij alle benodigde stappen ethanol geschikt voor moleculaire biologie\* wordt gebruikt.
- Schraap het volledige weefselgebied van twee coupes in een gemerkt microcentrifugebuisje. Gebruik voor elk monster een nieuw scalpel.
- Voer gedurende 1 uur ± 5 minuten digestie door proteïnase K (stap 11 in de *Handleiding voor de QIAamp DNA FFPE-weefselkit*) uit bij een temperatuur van 56 °C ± 3 °C.

\* Gebruik geen gedenatureerde alcohol, die andere substanties bevat, zoals methanol of methylethylketon.

- Voer gedurende 1 uur  $\pm$  5 minuten digestie door proteïnase K (stap 12 in de *Handleiding voor de QIAamp DNA FFPE-weefselkit*) uit bij een temperatuur van  $90\text{ }^{\circ}\text{C} \pm 3\text{ }^{\circ}\text{C}$ .
- Pas de RNase-stap beschreven in de *Handleiding voor de QIAamp DNA FFPE-weefselkit* niet toe.
- De monsters moeten worden geëluëerd met 120  $\mu\text{l}$  elutiebuffer (ATE) uit de QIAamp DNA FFPE-weefselkit (stap 20 in de *Handleiding voor de QIAamp DNA FFPE-weefselkit*).
- Genomisch DNA kan na extractie 1 week worden bewaard bij  $2\text{--}8\text{ }^{\circ}\text{C}$  of maximaal 8 weken bij  $-30$  tot  $-15\text{ }^{\circ}\text{C}$  voorafgaand aan gebruik.

**Opmerking:** bij alle assays in de *therascreen EGFR RGQ PCR-kit* worden korte PCR-producten gegenereerd. De *therascreen EGFR RGQ PCR-kit* werkt echter niet als het DNA in het uitgangsmateriaal ernstig gefragmenteerd is.

## Protocol: monsterbeoordeling

Dit protocol wordt gebruikt voor de beoordeling van het totale amplificeerbare DNA in monsters met behulp van de '*therascreen EGFR CE Sample Assessment Locked Template*' van het Rotor-Gene Q *therascreen EGFR CE Assay Package* voor geautomatiseerde beoordeling van monsters.

**Opmerking:** raadpleeg voor handmatige beoordeling van DNA-monsters 'Appendix A: *Protocol voor handmatige analyse met de therascreen EGFR RGQ PCR-kit*' op pagina 75.

### Wat u moet weten voor u begint

- Lees voorafgaand aan de procedure '*Algemene voorzorgsmaatregelen*' op pagina 17.
- Neem de tijd om vertrouwd te raken met het Rotor-Gene Q MDx-instrument voordat u met het protocol begint. Zie de gebruikershandleiding van het apparaat.
- Meng *Taq* of mengsels met *Taq* niet in de vortexmixer, aangezien dit kan leiden tot inactivatie van het enzym.

- Plaats bij het pipetteren van *Taq* de pipetpunt net onder het vloeistofoppervlak zodat er zo weinig mogelijk enzym aan de buitenkant van de punt blijft zitten.
- Met het beschikbare controlereactiemengsel kunnen maximaal 24 monsters worden beoordeeld.

### Wat u moet doen voor u begint

- Zorg dat de software van het *therascreen* EGFR CE Assay Package is geïnstalleerd vóór het eerste gebruik van het Rotor-Gene Q MDx-instrument (zie 'Appendix B: Installatie van het *therascreen* EGFR CE Assay Package' op pagina 103).
- Voor elk gebruik moeten alle reagentia ten minste 1 uur en ten hoogste 4,5 uur bij kamertemperatuur (15–25 °C) worden ontdooit, 10 keer worden omgedraaid om ze goed te mengen en kort worden gecentrifugeerd om de inhoud onder in het buisje te verzamelen.
- Meng alle monsters door ze 10 keer om te draaien en centrifugeer ze kort om de inhoud onder in het buisje te verzamelen.
- Zorg dat de *Taq* vóór elk gebruik op kamertemperatuur (15–25 °C) is gekomen. Centrifugeer het buisje kort zodat al het enzym zich onder in het buisje bevindt.

### Procedure

1. Ontdooi het controlereactiemengsel (CTRL), het water voor de controle zonder template (NTC) en de positieve controle op EGFR (PC) gedurende ten minste 1 uur en ten hoogste 4,5 uur bij kamertemperatuur (15–25 °C).

De tijden benodigd voor het ontdooien van reagentia, het opzetten van de PCR en opslag voordat de run wordt gestart, staan aangegeven in Tabel 2.

**Tabel 2. Tijden benodigd voor het ontdooien en het opzetten van de PCR en opslagtemperaturen**

Minimale tijd voor ontdooien	Maximale tijd voor ontdooien	Opslagtemperatuur na opzetten PCR	Maximale tijd voor opzetten en bewaren PCR
1 u	4,5 u	Kamertemperatuur (15–25 °C)	6 u
1 u	4,5 u	2–8 °C	18 u

**Opmerking:** het opzetten van de PCR wordt uitgevoerd bij kamertemperatuur (15–25 °C). De term 'opslag' verwijst naar de tijd tussen het afronden van het opzetten van de PCR en de start van de PCR-run op het Rotor-Gene Q MDx-instrument.

**Opmerking:** Breng *Taq* tegelijk met de andere reagentia op kamertemperatuur (15–25 °C) (zie 'Opslag en verwerking reagentia' op pagina 19). Centrifugeer het buisje kort zodat al het enzym zich onder in het buisje bevindt.

- Meng de reagentia na ontdooien door elk buisje 10 keer om te draaien om concentratieverschillen van zouten in het buisje te voorkomen. Centrifugeer daarna kort om de inhoud onder in het buisje te verzamelen.
- Bereid voldoende controlemastermix (controlereactiemengsel [CTRL] plus *Taq*) voor de DNA-monsters, een EGFR PC-reactie en een NTC-reactie, volgens de volumes in Tabel 3. Ga bij het toevoegen van de reagentia uit van één extra monster zodat er voldoende is om de PCR op te zetten.

De mastermix bevat alle bestanddelen die nodig zijn voor de PCR, behalve het monster.

**Tabel 3. Bereiding van de mastermix voor de controle-assay**

Bestanddeel	Volume
Controlereactiemengsel (CTRL)	19,5 µl × (n + 1)*
<i>Taq</i> DNA-polymerase ( <i>Taq</i> )	0,5 µl × (n + 1)
<b>Totaal volume</b>	<b>20 µl/reactie</b>

\* n = aantal reacties (monsters plus controles). Maak bij het bereiden van de mastermix genoeg voor één extra monster (n + 1) zodat er voldoende is om de PCR op te zetten. De waarde van n mag niet hoger zijn dan 26 (24 monsters plus 2 controles).



**Opmerking:** bij het voorbereiden van de mastermix wordt eerst het benodigde volume controlereactiemengsel in de buis gebracht en de *Taq* als laatste.

4. Meng de mastermix grondig door hem voorzichtig 10 keer op en neer te pipetteren. Plaats het juiste aantal stripbuisjes in het laadblok, volgens de indeling in Tabel 4. Pipetteer meteen 20 µl mastermix in elk PCR-stripbuisje.
- Laat de dopjes in de plastic container tot deze nodig zijn. Voeg voor de analyse van DNA-monsters mastermix voor de controle-assay toe aan één buisje voor PC, één buisje voor NTC en één buisje voor elk monster.

**Tabel 4. Indeling van het laadblok voor de beoordeling van DNA-monsters** De getallen geven de posities in het laadblok en de uiteindelijke rotorpositie aan.

Assay	Positie								
Controle	1[PC]	9	17	25	–	–	–	–	–
Controle	2[NTC]	10	18	26	–	–	–	–	–
Controle	3	11	19	–	–	–	–	–	–
Controle	4	12	20	–	–	–	–	–	–
Controle	5	13	21	–	–	–	–	–	–
Controle	6	14	22	–	–	–	–	–	–
Controle	7	15	23	–	–	–	–	–	–
Controle	8	16	24	–	–	–	–	–	–

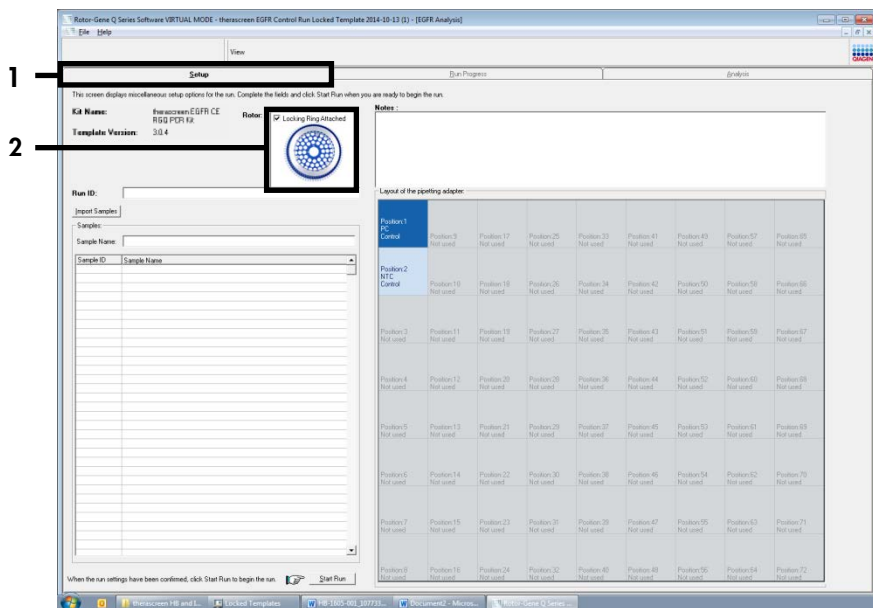
5. Voeg meteen 5 µl water voor de NTC toe in het buisje op positie 2 en doe het dopje erop.
6. Voeg 5 µl van elk monster toe in de monsterbuisjes (buisposities 3–26) en doe de dopjes erop.
7. Voeg 5 µl EGFR PC toe in het buisje op positie 1 en doe het dopje erop.
- Ga zorgvuldig te werk om te voorkomen dat er fouten worden gemaakt bij het laden of pipetteren en te zorgen voor de correcte toevoeging van NTC, monsters en PC in de daarvoor bedoelde buisjes. Markeer de dopjes van de buisjes om aan te geven hoe ze in het Rotor-Gene Q MDx-instrument moeten worden geplaatst.

8. Kijk nadat de dopjes op alle PCR-buisjes zijn geplaatst of het vloeistofniveau in alle monsterbuisjes op het oog gelijk is, om te controleren of aan elk buisje monster is toegevoegd.
9. Draai alle PCR-buisjes vier keer om de monsters en reactiemengsels te mengen.
10. Plaats de PCR-stripbuisjes op de juiste posities in de rotor met 72 plaatsen, zoals aangegeven in Tabel 4.  
  
Als niet alle plaatsen in de rotor bezet zijn, plaats dan een leeg buisje met dop op elke lege plek.
11. Plaats de rotor met 72 plaatsen meteen in het Rotor-Gene Q MDx-instrument. Zorg ervoor dat de vergrendelingsring (hulpstuk bij het Rotor-Gene Q MDx-instrument) op de rotor is geplaatst zodat de buisjes gedurende de run op hun plaats worden gehouden.  
**Opmerking:** raadpleeg 'Appendix A: *Protocol* voor handmatige analyse met de *therascreen EGFR RGQ PCR-kit*' op pagina 75 voor handmatige beoordeling.
12. Start de software van de Rotor-Gene Q door te dubbelklikken op het pictogram '*therascreen EGFR CE Control Run Locked Template*' op het bureaublad van de laptop waarop het Rotor-Gene Q MDx-instrument is aangesloten (afbeelding 1).



**Afbeelding 1.** Pictogram EGFR CE Locked Template voor controlerun (monsterbeoordeling).

13. Standaard verschijnt het tabblad 'Setup' (Opzetten) (afbeelding 2). Controleer of de vergrendelingsring goed is vastgezet en vink daarna het vakje 'Locking Ring Attached' (Vergrendelingsring vastgezet) aan. Sluit het deksel van het Rotor-Gene Q MDx-instrument.



Afbeelding 2. Tabblad 'Setup' (Opzetten) (1) en het vakje 'Locking Ring Attached' (Vergrendelingsring vastgezet) (2).

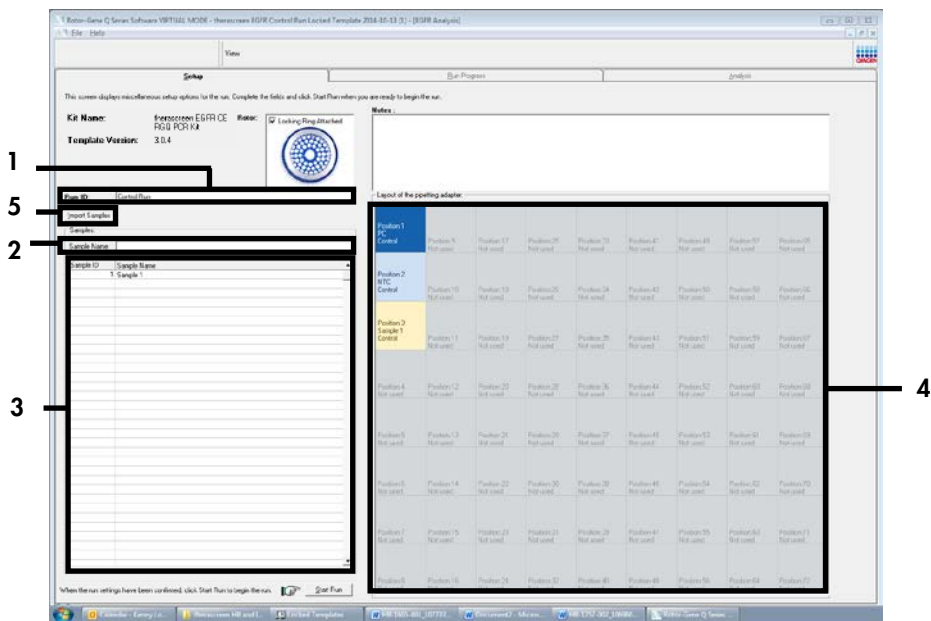
14. Voer in het dialoogveld 'Run ID' (ID van de run) een identificatiecode voor de run in volgens de bij u gebruikte afspraken voor naamgeving. Voer in het dialoogveld 'Sample Name' (Naam monster) de naam van het monster in volgens de bij u gebruikte afspraken voor naamgeving en druk op de toets 'Enter'.

De naam van het monster wordt nu aan de lijst met monsters in het vak eronder toegevoegd en het monster krijgt een 'Sample ID' (Monster-ID) (1, 2, 3 enzovoort). Ook wordt het paneel 'Layout of the pipetting adapter' (Indeling van de pipetteeradapter) aan de rechterkant bijgewerkt met de naam van het monster (afbeelding 3).

**Opmerking:** de namen van monsters die zijn opgeslagen als \*.smp (monsterbestand voor de Rotor-Gene Q) of \*.csv (kommagescheiden bestand), kunnen ook worden geïmporteerd met de functie 'Import Samples' (Monsters importeren). Bij deze methode worden de namen van de monsters automatisch ingevuld.

**Opmerking:** controleer in het paneel 'Layout of the pipetting adapter' (Indeling van de pipetteeradapter) of de naam van het zojuist toegevoegde monster is gemarkeerd door een verandering van de kleur en of de naam van het monster op de positie van het monster staat (afbeelding 3).

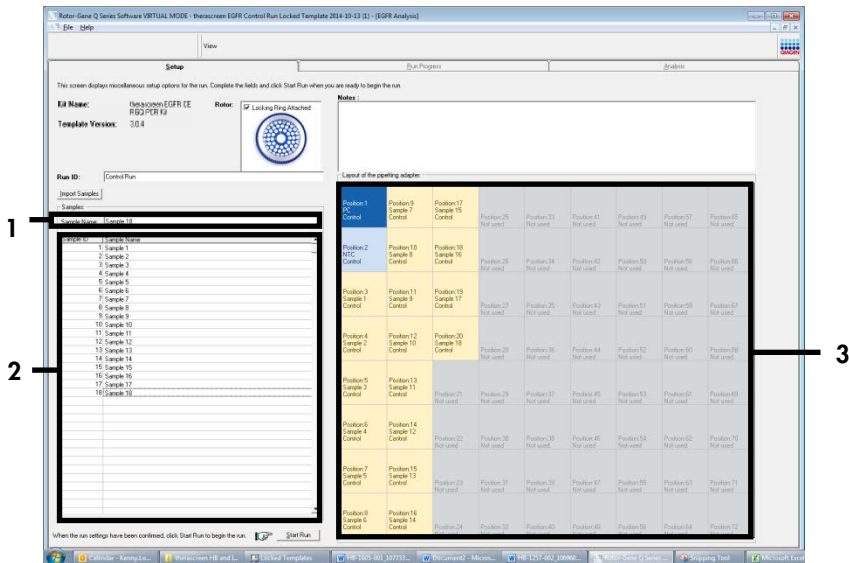
**Opmerking:** monsternamen die uit meer dan acht tekens bestaan, worden mogelijk niet volledig weergegeven in het paneel 'Layout of the pipetting adapter' (Indeling van de pipetteeradapter).



**Afbeelding 3. Invoeren van de 'Run ID' (ID van de run) en 'Sample Name' (Naam monster).** 1 = dialoogveld 'Run ID' (ID van de run); 2 = veld 'Sample Name' (Naam monster); 3 = lijst met monsters; 4 = paneel 'Layout of the pipetting adapter' (Indeling van de pipetteeradapter); 5 = paneel met geïmporteerde monsters.

15. Herhaal stap 14 om de namen van alle overige monsters in te voeren (afbeelding 4).

**Opmerking:** om de naam van een monster te bewerken, klikt u op 'Sample Name' (Naam monster) in de lijst met monsters. Het geselecteerde monster wordt getoond in het dialoogveld 'Sample Name' (Naam monster) boven in het venster. Pas de naam van het monster aan volgens de bij u gebruikte afspraken voor naamgeving en druk op de toets 'Enter' om de naam bij te werken.

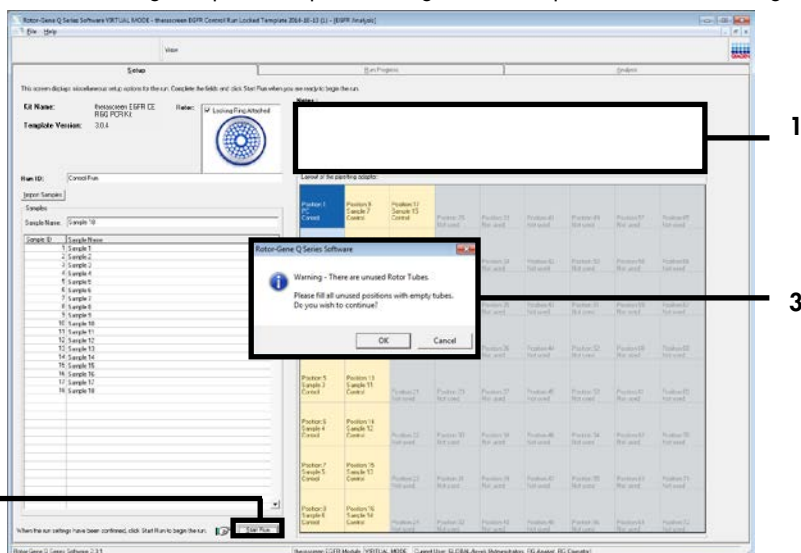


Afbeelding 4. Invoeren van namen van overige monsters in het dialoogveld 'Sample Name' (Naam monster).

1 = dialoogveld 'Sample Name' (Naam monster); 2 = lijst met monsters; 3 = paneel 'Layout of the pipetting adapter' (Indeling van de pipetteeradapter).

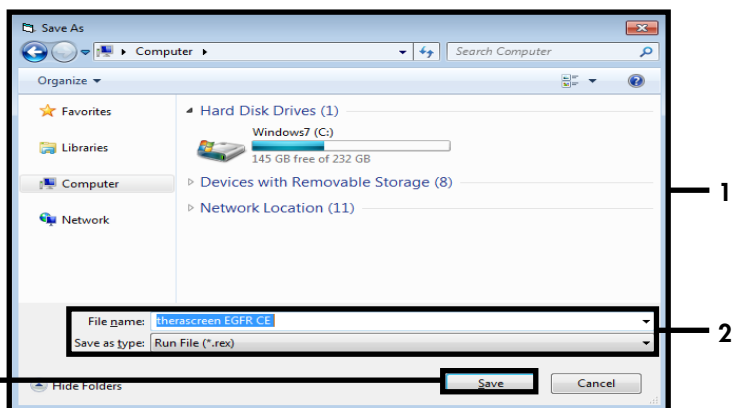
16. Controleer na het invoeren van de namen van alle monsters of deze correct zijn. Voer, indien gewenst, in het dialoogveld 'Notes' (Opmerkingen) eventuele aanvullende informatie in en klik op de knop 'Start Run' (Run starten) (afbeelding 5).

**Opmerking:** als er een plaats in de rotor niet bezet is, verschijnt er een waarschuwing (afbeelding 5) om de gebruiker eraan te herinneren dat op alle ongebruikte plaatsen een leeg buisje met dop moet worden geplaatst. Controleer of op alle ongebruikte posities in de rotor een leeg buisje met dop aanwezig is en klik op 'OK' om verder te gaan.



Afbeelding 5. Dialoogveld 'Notes' (Opmerkingen) (1), knop 'Start Run' (Run starten) (2) en 'Warning' (Waarschuwing) bij ongebruikte rotorposities (3).

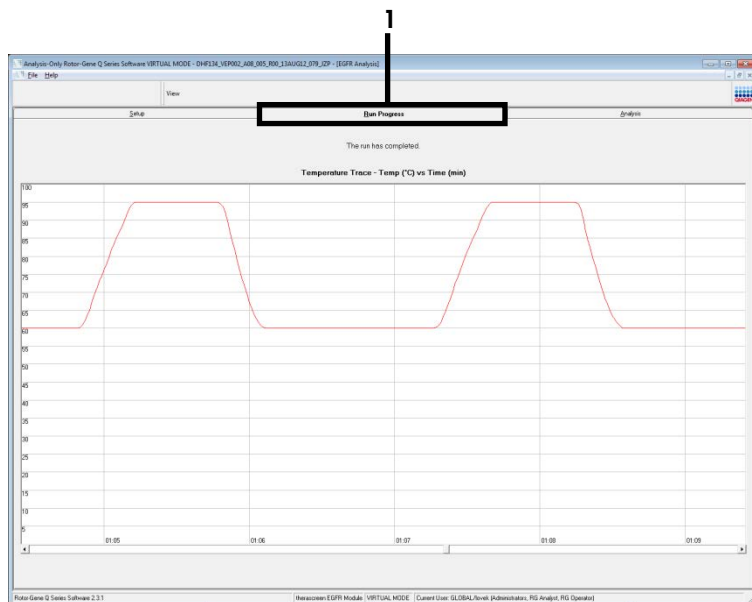
17. Het venster 'Save As' (Opslaan als) verschijnt. Kies een geschikte naam en locatie voor het bestand en sla de PCR-run op als \*.rex run-bestand. Klik op 'Save' (Opslaan) (afbeelding 6).



Afbeelding 6. Venster 'Save As' (Opslaan als) (1) 2 = Velden 'File Name' (Bestandsnaam) en 'Save as type' (Opslaan als type); 3 = 'Save' (Opslaan)

18. De PCR-run begint.

**Opmerking:** als de run begint, wordt het tabblad 'Run Progress' (Voortgang van run) geopend, waarop het temperatuurverloop en de resterende tijd te zien zijn (afbeelding 7).

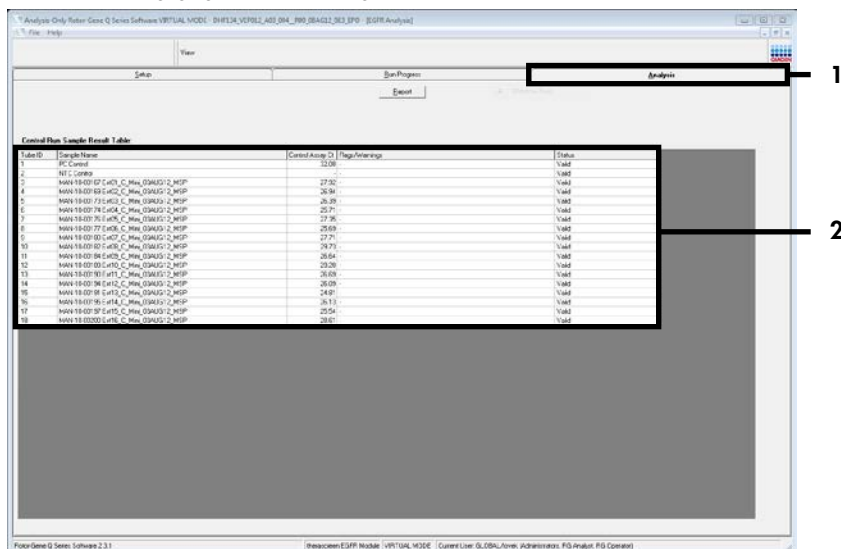


Afbeelding 7. Tabblad 'Run Progress' (Voortgang van run) (1).

19. Na afloop van de run wordt het tabblad 'Analysis' (Analyse) geopend.

**Opmerking:** als het tabblad 'Analysis' (Analyse) niet vanzelf wordt geopend, klik dan op het tabblad 'Analysis' (Analyse) (afbeelding 8).

**Opmerking:** onder het kopje 'Interpretatie van de resultaten (automatisch)' op pagina 48 wordt uitleg gegeven over de gebruikte rekenmethode.



Afbeelding 8. Tabblad 'Analysis' (Analyse) (1) en rapportage van resultaten (2 = 'Sample QC Result Table' [Tabel met QC-resultaten voor monsters]).

20. De resultaten van controles worden als volgt weergegeven in de 'Sample Result Table' (Tabel met QC-resultaten voor monsters) (afbeelding 8).

**Controles van de run (positieve controle en controle zonder template, buisjes op respectievelijk posities 1 en 2).** Als de resultaten binnen het aanvaardbare bereik vallen, wordt er in beide velden 'Valid' (Geldig) weergegeven. Als dit niet het geval is, staat er 'Invalid' (Ongeldig).



**Als bij de controlereactie van het monster een  $C_T$ -waarde  $> 31,10$  wordt gevonden, wordt 'Invalid' (Ongeldig) weergegeven.** De hoeveelheid DNA is niet voldoende voor mutatie-analyse. Test het monster opnieuw. Als de hoeveelheid DNA nog steeds onvoldoende is, voer dan een extractie uit op een grotere hoeveelheid tumorweefsel, indien beschikbaar.

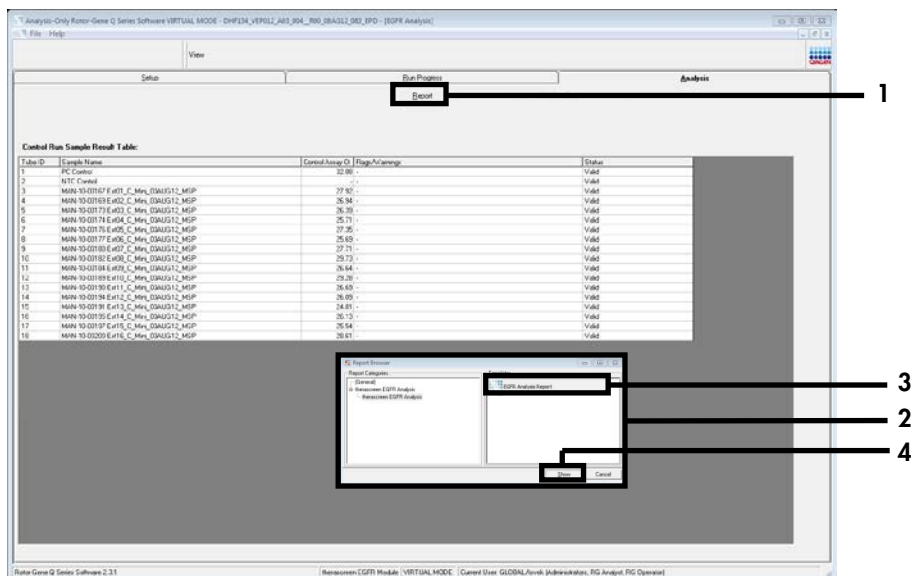
**Als bij de controlereactie van het monster een  $C_T$ -waarde  $< 23,70$  wordt gevonden, wordt 'Invalid' (Ongeldig) weergegeven.** De DNA-concentratie is te hoog voor mutatie-analyse. Verdun het monster met nucleasevrij water voor verdunning (Dil.) en test het opnieuw. Verdun het monster tot een  $C_T$  van 23,70–31,10. Een verdunning van 1:1 geeft een toename van de  $C_T$ -waarde van ongeveer 1,0.

**Als de controlereactie van het monster een  $C_T$ -waarde tussen 23,70 en 31,10 oplevert ( $23,70 \leq \text{controle-}C_T \leq 31,10$ ), wordt 'Valid' (Geldig) weergegeven.** De DNA-concentratie is geschikt voor mutatie-analyse.

**Opmerking:** herhaal bij eventuele nieuwe extractie of verdunning de controlereactie ter bevestiging dat de DNA-concentratie nu wel geschikt is voor gebruik.

21. Klik op 'Report' (Rapport) om een rapportbestand aan te maken. Het venster 'Report Browser' (Rapportbrowser) wordt geopend. Selecteer onder 'Templates' (Sjablonen) de optie 'EGFR CE Analysis Report' (Analyserapport EGFR CE) en klik op de knop 'Show' (Weergeven) (afbeelding 9).

**Opmerking:** klik op de knop 'Save As' (Opslaan als) in de linkerbovenhoek van elk rapport om rapporten in Web Archives-indeling op te slaan op een andere locatie.



**Afbeelding 9. Selecteren van het 'EGFR CE Analysis Report' (Analyserapport EGFR CE).** 1 = 'Report' (Rapport); 2 = venster 'Report Browser' (Rapportbrowser); 3 = geselecteerd 'EGFR Analysis Report' (Analyserapport EGFR); 4 = knop 'Show' (Weergeven).

## Protocol: detectie van EGFR-mutaties

Dit protocol wordt gebruikt voor de detectie van EGFR-mutaties. Nadat een monster geschikt is bevonden voor DNA-analyse, kan het worden getest met de EGFR-mutatie-assays met behulp van geautomatiseerde software.

**Opmerking:** raadpleeg voor handmatige mutatiedetectie 'Appendix A: Protocol voor handmatige analyse met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit' op pagina 75.

### Wat u moet weten voor u begint

- Lees voorafgaand aan de procedure 'Algemene voorzorgsmaatregelen' op pagina 17.
- Neem de tijd om vertrouwd te raken met het Rotor-Gene Q MDx-instrument voordat u met het protocol begint. Zie de gebruikershandleiding van het apparaat.
- Een monster kan met de EGFR-mutatie-assays worden getest wanneer het bij de beoordeling van het DNA-monster geschikt is bevonden.
- Om de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit zo efficiënt mogelijk te benutten, moeten de monsters worden gegroepeerd in batches van zeven. Bij kleinere batches kunnen er minder monsters worden getest met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit.
- Een monster moet worden getest met alle reactiemengsels die in de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit worden geleverd.
- Meng de *Taq* of mengsels met *Taq* niet in de vortexmixer, aangezien dit kan leiden tot inactivatie van het enzym.
- Plaats bij het pipetteren van *Taq* de pipetpunt voorzichtig net onder het vloeistofoppervlak zodat er zo weinig mogelijk enzym aan de buitenkant van de punt blijft zitten.

### Wat u moet doen voor u begint

- Zorg dat de software van het *therascreen* EGFR CE Assay Package is geïnstalleerd vóór het eerste gebruik van het Rotor-Gene Q MDx-instrument (zie 'Appendix B: Installatie van het *therascreen* EGFR CE Assay Package' op pagina 103).

- Voor elk gebruik moeten alle reagentia in ten minste 1 uur en ten hoogste 4,5 uur bij kamertemperatuur (15–25 °C) volledig worden ontdooit, 10 keer worden omgedraaid om ze goed te mengen en kort worden gecentrifugeerd om de inhoud onder in het buisje te verzamelen.
- Meng alle monsters door ze 10 keer om te draaien en centrifugeer ze kort om de inhoud onder in het buisje te verzamelen.
- Zorg dat de *Taq* vóór elk gebruik op kamertemperatuur (15–25 °C) is gekomen. Centrifugeer het buisje kort zodat al het enzym zich onder in het buisje bevindt.

## Procedure

1. Ontdooi alle buisjes met reactiemengsel, het water voor NTC en de PC voor EGFR gedurende ten minste 1 uur en ten hoogste 4,5 uur bij kamertemperatuur (15–25 °C).  
De tijden benodigd voor het ontdooien van reagentia, het opzetten van de PCR en opslag voordat de run wordt gestart, staan aangegeven in Tabel 5.

**Tabel 5. Tijden benodigd voor het ontdooien en het opzetten van de PCR en opslagtemperaturen**

Minimale tijd voor ontdooien	Maximale tijd voor ontdooien	Opslagtemperatuur na opzetten PCR	Maximale tijd voor opzetten en bewaren PCR
1 u	4,5 u	Kamertemperatuur (15–25 °C)	6 u
1 u	4,5 u	2–8 °C	18 u

**Opmerking:** het opzetten van de PCR wordt uitgevoerd bij kamertemperatuur (15–25 °C). De term 'opslag' verwijst naar de tijd tussen het afronden van het opzetten van de PCR en de start van de PCR-run op het Rotor-Gene Q MDx-instrument.

**Opmerking:** breng *Taq* (buisje *Taq*) tegelijk met de andere reagentia op kamertemperatuur (15–25 °C) (zie 'Opslag en verwerking reagentia' op pagina 19). Centrifugeer het buisje kort zodat al het enzym zich onder in het buisje bevindt.

2. Meng de reagentia na ontdooien door elk buisje 10 keer om te draaien om concentratieverschillen van zouten in het buisje te voorkomen. Centrifugeer daarna kort om de inhoud onder in het buisje te verzamelen.
3. Bereid voldoende assaymastermix (assayreactiemengsel plus *Taq*) voor de DNA-monsters, een EGFR PC-reactie en een NTC-reactie, volgens de volumes in Tabel 6. Ga bij het toevoegen van de reagentia uit van één extra monster zodat er voldoende is om de PCR op te zetten.

De mastermixen bevatten alle bestanddelen die nodig zijn voor de PCR, behalve het monster.

**Tabel 6. Bereiding van de mastermixen voor de assay**

Assay	Buisje met reactiemengsel	Volume reactiemengsel	Volume <i>Taq</i> DNA-polymerase (buisje <i>Taq</i> )
Controle	CTRL	19,5 µl x (n+1)*	0,5 µl x (n+1)*
T790M	T790M	19,5 µl x (n+1)	0,5 µl x (n+1)
Deleties	Del	19,5 µl x (n+1)	0,5 µl x (n+1)
L858R	L858R	19,5 µl x (n+1)	0,5 µl x (n+1)
L861Q	L861Q	19,5 µl x (n+1)	0,5 µl x (n+1)
G719X	G719X	19,5 µl x (n+1)	0,5 µl x (n+1)
S768I	S768I	19,5 µl x (n+1)	0,5 µl x (n+1)
Inserties	Ins	19,5 µl x (n+1)	0,5 µl x (n+1)

\* n = aantal reacties (monsters plus controles). Maak bij het bereiden van de mastermix genoeg voor één extra monster (n + 1) zodat er voldoende is om de PCR op te zetten. De waarde n mag niet hoger zijn dan zeven (plus controles), aangezien er maximaal zeven monsters in een run passen.

4. Meng de assaymastermixen grondig door deze voorzichtig 10 keer op en neer te pipetteren. Plaats het juiste aantal stripbuisjes in het laadblok, volgens de indeling in Tabel 7. Voeg meteen 20 µl van de benodigde assaymastermix toe in elk PCR-stripbuisje. Laat de dopjes in de plastic container tot deze nodig zijn.

**Tabel 7. Indeling van het laadblok met controles en mutatie-assays.** De getallen geven de posities in het laadblok en de uiteindelijke rotorpositie aan.

Assay	Controles		Positie						
	PC	NTC	1	2	3	4	5	6	7
Controle	1	9	17	25	33	41	49	57	65
T790M	2	10	18	26	34	42	50	58	66
Deleties	3	11	19	27	35	43	51	59	67
L858R	4	12	20	28	36	44	52	60	68
L861Q	5	13	21	29	37	45	53	61	69
G719X	6	14	22	30	38	46	54	62	70
S768I	7	15	23	31	39	47	55	63	71
Inserties	8	16	24	32	40	48	56	64	72

- Voeg meteen 5 µl water voor NTC toe in de buisjes op de posities 9-16 en doe de dopjes erop.
- Doe 5 µl van elk monster in de monsterbuisjes (buisjes op de posities 17–24, 25–32, 33–40, 41–48, 49–56, 57–64 en 65–72) en doe de dopjes erop.

- Voeg 5 µl EGFR PC toe in de buisjes op de posities 1–8 en doe de dopjes erop.

Ga zorgvuldig te werk om te voorkomen dat er fouten worden gemaakt bij het laden of pipetteren en te zorgen voor de correcte toevoeging van NTC en PC voor EGFR in de daarvoor bedoelde buisjes.

Elk buisje moet een totaal reactievolume bevatten van 25 µl (20 µl van de assaymastermix bereid in stap 3 (Tabel 6) plus 5 µl NTC/monster/PC). De getallen geven de posities in het laadblok en de uiteindelijke rotorpositie aan.

Markeer de dopjes van de buisjes om aan te geven hoe ze in het Rotor-Gene Q MDx-instrument moeten worden geplaatst.

- Kijk nadat de dopjes op alle PCR-buisjes zijn geplaatst of het vloeistofniveau in alle monsterbuisjes op het oog gelijk is, om te controleren of aan elk buisje monster is toegevoegd.

9. Draai alle PCR-buisjes vier keer om de monsters en reagemengsels te mengen.
10. Plaats de PCR-stripbuisjes op de juiste posities in de rotor met 72 plaatsen, zoals aangegeven in Tabel 7.

In elke PCR-run kunnen maximaal zeven monsters worden opgenomen. Als niet alle plaatsen in de rotor bezet zijn, plaats dan een leeg buisje met dop op elke lege plek.

11. Plaats de rotor met 72 plaatsen meteen in het Rotor-Gene Q MDx-instrument. Zorg ervoor dat de vergrendelingsring (hulpstuk bij het Rotor-Gene Q MDx-instrument) op de rotor is geplaatst zodat de buisjes gedurende de run op hun plaats worden gehouden.

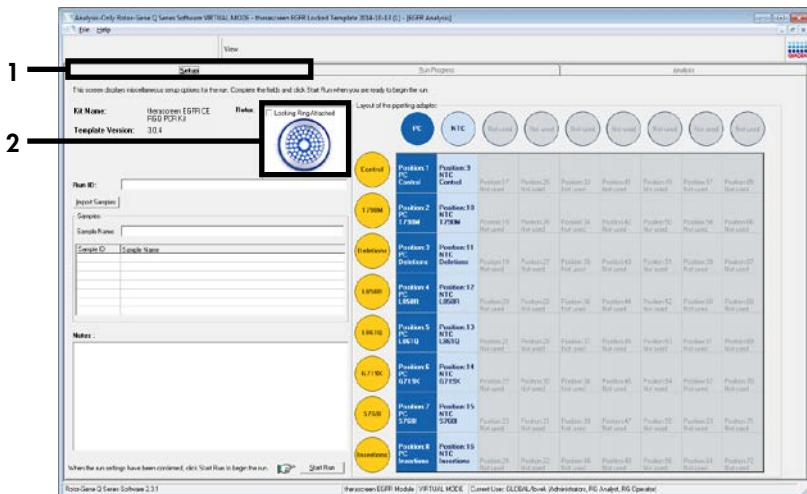
**Opmerking:** raadpleeg 'Bijlage A: Protocol voor handmatige analyse met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit' op pagina 76 als u gebruikmaakt van handmatige detectie van EGFR-mutaties.

12. Start de software van de Rotor-Gene Q door te dubbelklikken op het pictogram '*therascreen* EGFR CE Locked Template' op het bureaublad van de computer waarop het Rotor-Gene Q MDx-instrument is aangesloten (afbeelding 10).



**Afbeelding 10. Pictogram EGFR CE Locked Template (detectie van EGFR-mutaties)**

13. Standaard verschijnt het tabblad 'Setup' (Opzetten) (afbeelding 11). Controleer of de vergrendelingsring goed is vastgezet en vink daarna het vakje 'Locking Ring Attached' (Vergrendelingsring vastgezet) aan. Sluit het deksel van het Rotor-Gene Q MDx-instrument.



Afbeelding 11. Tabblad 'Setup' (Opzetten) (1) en het vakje 'Locking Ring Attached' (Vergrendelingsring vastgezet) (2).

14. Voer in het dialoogveld 'Run ID' (ID van de run) een identificatiecode voor de run in volgens de bij u gebruikte afspraken voor naamgeving. Voer in het dialoogveld 'Sample Name' (Naam monster) de naam van het monster in volgens de bij u gebruikte afspraken voor naamgeving en druk op de toets 'Enter'.

De naam van het monster wordt nu aan de lijst met monsters in het vak eronder toegevoegd en het monster krijgt een 'Sample ID' (Monster-ID) (1, 2, 3 enzovoort). Ook wordt het paneel 'Layout of the pipetting adapter' (Indeling van de pipetteeradapter) aan de rechterkant bijgewerkt met de naam van het monster (afbeelding 12).

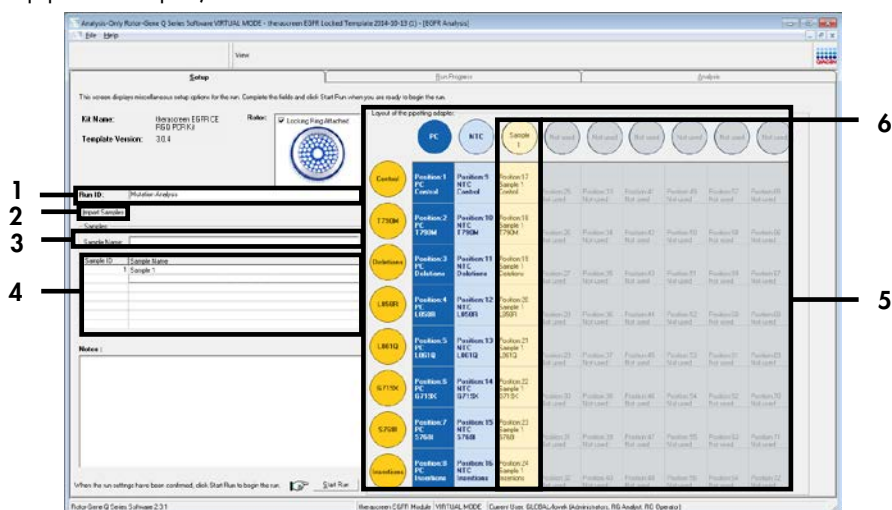
**Opmerking:** namen van monsters die als \*.smp (monsterbestand voor de Rotor-Gene Q) of \*.csv (kommagescheiden bestand) zijn opgeslagen, kunnen ook worden geïmporteerd met de knop 'Import Samples' (Monsters importeren). Bij deze methode worden de namen van de monsters automatisch ingevuld.

**Opmerking:** controleer in het paneel 'Layout of the pipetting adapter' (Indeling van de pipetteeradapter) of de naam van het zojuist toegevoegde monster is gemarkeerd door een verandering van de kleur en of de naam van het monster op de positie van het monster staat (afbeelding 12).



**Opmerking:** er kunnen maximaal zeven monsters worden toegevoegd. Automatisch wordt aan elk monster een identificatienummer van 1 tot en met 7 toegekend (in de cirkels die horen bij de monsters).

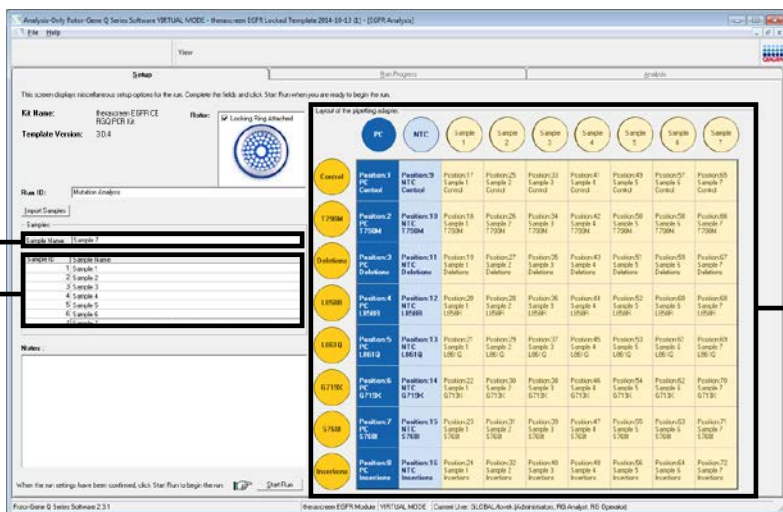
**Opmerking:** monsternamen die uit meer dan acht tekens bestaan, worden mogelijk niet volledig weergegeven in het paneel 'Layout of the pipetting adapter' (Indeling van de pipetteeradapter).



**Abbeelding 12.** Invoeren van de 'Run ID' (ID van de run) en 'Sample Name' (Naam monster). 1 = dialogveld 'Run ID' (ID van de run); 2 = knop 'Sample Import' (Import van monster); 3 = dialogveld 'Sample Name' (Naam monster); 4 = lijst met monsters, 5 = paneel 'Layout of the pipetting adapter' (Indeling van de pipetteeradapter); 6 = gemarkeerde cirkel van monster met daaronder een kolom met 8 assays.

15. Herhaal stap 14 om de namen van alle overige monsters in te voeren (afbeelding 13).

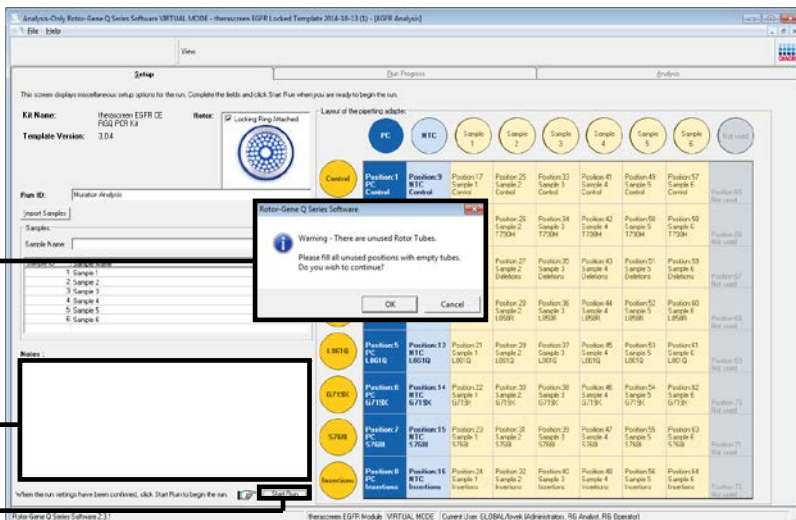
**Opmerking:** om de naam van een monster te bewerken, klikt u op 'Sample Name' (Naam monster) in de lijst met monsters. Het geselecteerde monster wordt getoond in het dialogveld 'Sample Name' (Naam monster) erboven. Pas de naam van het monster aan volgens de bij u gebruikte afspraken voor naamgeving en druk op de toets 'Enter' om de naam bij te werken.



**Afbeelding 13. Invoeren van namen van overige monsters in het dialoogveld 'Sample Name' (Naam monster).** 1 = dialoogveld 'Sample Name' (Naam monster); 2 = lijst met monsters; 3 = paneel 'Layout of the pipetting adapter' (Indeling van de pipetteeradapter).

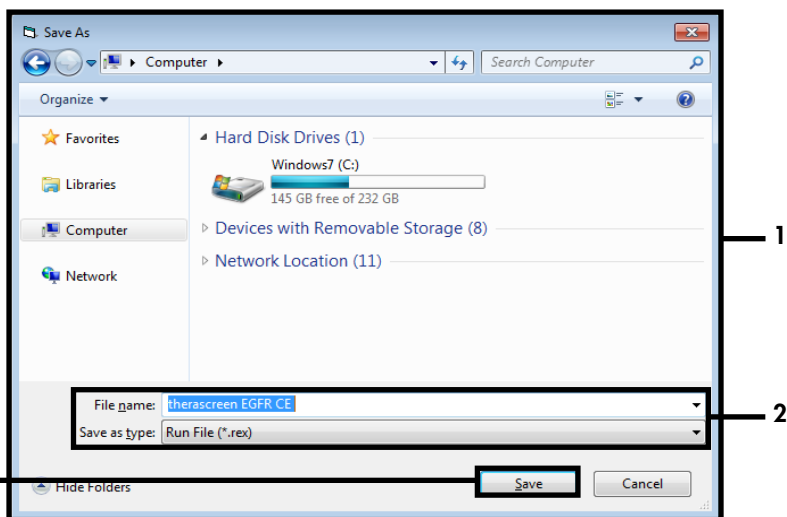
16. Controleer na het invoeren van de namen van alle monsters of deze correct zijn. Voer, indien gewenst, in het dialoogveld 'Notes' (Opmerkingen) eventuele aanvullende informatie in en klik op de knop 'Start Run' (Run starten) (afbeelding 14).

**Opmerking:** als er een plaats in de rotor niet bezet is, verschijnt er een waarschuwing (afbeelding 14) om de gebruiker eraan te herinneren dat op alle ongebruikte plaatsen een leeg buisje met dop moet worden geplaatst. Controleer of op alle ongebruikte posities in de rotor een leeg buisje met dop aanwezig is en klik op 'OK' om verder te gaan.



Afbeelding 14. Dialoogveld 'Notes' (Opmerkingen) (1), knop 'Start Run' (Run starten) (2) en 'Warning' (Waarschuwing) bij ongebruikte rotorposities (3).

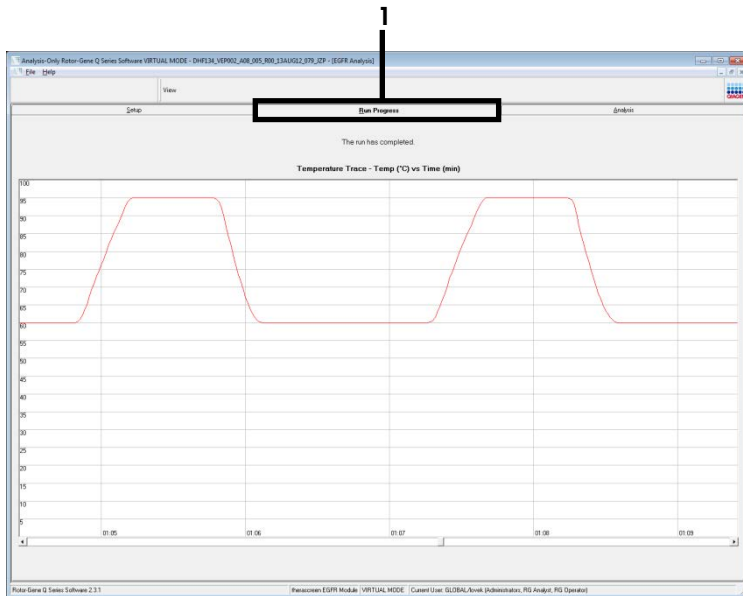
17. Het venster 'Save As' (Opslaan als) verschijnt. Kies een geschikte naam en locatie voor het bestand en sla de PCR-run op als \*.rex run-bestand. Klik op 'Save' (Opslaan) (afbeelding 15).



**Afbeelding 15. Venster 'Save As' (Opslaan als)** (1) 2 = Velden 'File Name' (Bestandsnaam) en 'Save as type' (Opslaan als type); 3 = 'Save' (Opslaan)

18. De PCR-run begint.

**Opmerking:** als de run begint, wordt het tabblad 'Run Progress' (Voortgang van run) geopend, waarop het temperatuurverloop en de resterende tijd te zien zijn (afbeelding 16).



Afbeelding 16. Tabblad 'Run Progress' (Voortgang van run).

19. Na afloop van de run wordt het tabblad 'Analysis' (Analyse) geopend.

**Opmerking:** als het tabblad 'Analysis' (Analyse) niet vanzelf wordt geopend, klik dan op het tabblad 'Analysis' (Analyse) (afbeelding 17).

**Opmerking:** onder het kopje 'Interpretatie van de resultaten (automatisch)' op pagina 48 wordt uitleg gegeven over de gebruikte rekenmethode.

**Run Controls, Positive Control**

Probe Position	Assay	Flag/Settings	Positive Control Status
Control			Valid
1730M			Valid
Deletion			Valid
1731D			Valid
1732D			Valid
1733D			Valid

**Run Controls, Negative Control**

Probe Position	Assay	NTC	Internal Control	Flag/Settings	Negative Control Status
Control					Valid
1730M		Valid	Valid	-	Valid
Deletion		Valid	Valid	-	Valid
1731D		Valid	Valid	-	Valid
1732D		Valid	Valid	-	Valid
1733D		Valid	Valid	-	Valid

**Sample Result Table**

Sample ID	Sample Name	EGFR Status	Control ID	Delta Ct	Flag/Settings	EGFR Mutation Status
1	SAMPLE 1	Mutation Detected	27.26	4.37	779M Detected	779M Detected
2	SAMPLE 2	Mutation Detected	30.06	5.96	185D Detected	185D Detected
3	SAMPLE 3	Mutation Detected	27.11	6.23	185D Detected	185D Detected
4	SAMPLE 4	Mutation Detected	30.75	5.95	185D Detected	185D Detected
5	SAMPLE 5	Mutation Detected	35.41	6.36	185D Detected	185D Detected
6	SAMPLE 6	Mutation Detected	25.22	6.22	185D Detected	185D Detected
7	SAMPLE 7	Mutation Detected	25.22	7.15	185D Detected	185D Detected

**Afbeelding 17. Het tabblad 'Analysis' (Analyse) (1) en weergave van resultaten. 2 = paneel 'Run Controls, Positive Control' (Controles van run, positieve controle); 3 = paneel 'Run Controls, Negative Control' (Controles van run, negatieve controle); 4 = 'Sample Result Table' (Tabel monsterresultaten); 5 = paneel 'Mutation Status' (Mutatiestatus).**

20. De assayresultaten worden als volgt gerapporteerd (afbeelding 18).

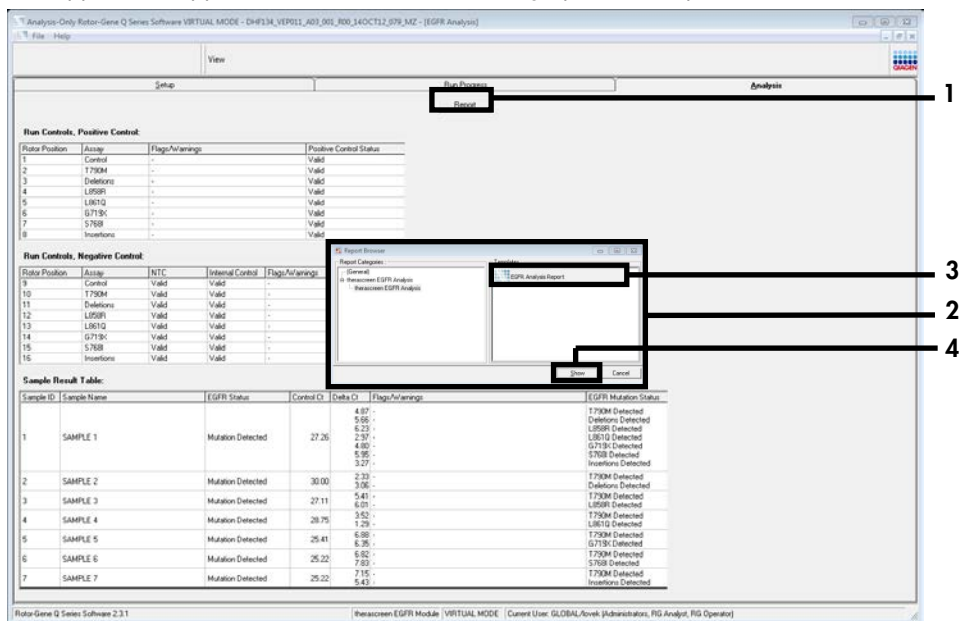
**Controles van run, positieve controle:** als de resultaten binnen het aanvaardbare bereik vallen, wordt bij 'Positive Control Status' (Status van positieve controle) 'Valid' (Geldig) weergegeven. Zo niet, dan wordt als resultaat 'Invalid' (Ongeldig) weergegeven.

**Controles van run, negatieve controle:** Als de resultaten van zowel 'NTC' als 'Internal Control' (Interne Controle) binnen het aanvaardbare bereik vallen, wordt bij 'Negative Control Status' (Status negatieve controle) 'Valid' (Geldig) weergegeven. Zo niet, dan wordt als resultaat 'Invalid' (Ongeldig) weergegeven.

**Tabel monsterresultaten:** In de kolom 'EGFR Mutation Status' (EGFR-mutatiestatus) worden specifieke mutaties weergegeven voor de monsters met een mutatie.

21. Klik op 'Report' (Rapport) om een rapportbestand aan te maken. Het venster 'Report Browser' (Rapportbrowser) wordt geopend. Selecteer onder 'Templates' (Sjablonen) de optie 'EGFR CE Analysis Report' (Analyserapport EGFR CE) en klik op de knop 'Show' (Weergeven) (afbeelding 18).

**Opmerking:** klik op de knop 'Save As' (Opslaan als) in de linkerbovenhoek van elk rapport om rapporten in Web Archives-indeling op te slaan op een andere locatie.



**Afbeelding 18. Selecteren van het 'EGFR CE Analysis Report' (Analyserapport EGFR CE).** 1 = 'Report' (Rapport); 2 = venster 'Report Browser' (Rapportbrowser); 3 = geselecteerd 'EGFR CE Analysis Report' (Analyserapport EGFR CE); 4 = knop 'Show' (Weergeven).

# Interpretatie van de resultaten (automatisch)

Na afloop van een run worden de resultaten automatisch geanalyseerd en mutaties geïdentificeerd door het *therascreen* EGFR Assay Package. Hieronder wordt uitgelegd hoe het *therascreen* EGFR Assay Package te werk gaat tijdens de analyse en de identificatie van de mutaties.

**Opmerking:** raadpleeg voor handmatige analyse 'Interpretatie van de resultaten (handmatig)' op pagina 92.

De PCR-cyclus waarbij de fluorescentie van een bepaalde reactie een drempelwaarde overschrijdt, is gedefinieerd als de  $C_T$ -waarde. De  $C_T$ -waarde is een maat voor de hoeveelheid specifiek DNA in het uitgangsmateriaal. Een lage  $C_T$ -waarde duidt op een hogere concentratie DNA in het uitgangsmateriaal en een hoge  $C_T$ -waarde geeft aan dat er weinig DNA in het uitgangsmateriaal aanwezig is. Reacties waarbij een  $C_T$ -waarde wordt gevonden, worden geclassificeerd als reacties met positieve amplificaties.

In de software van de Rotor-Gene Q worden de fluorescentiesignalen tussen twee gemeten waarden geïnterpoleerd. De  $C_T$ -waarden kunnen daarom elk reëel getal zijn tussen 0 en 40, en zijn niet beperkt tot gehele getallen. De drempelwaarde voor de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit is ingesteld op 0,075 relatieve fluorescentie-eenheden voor het groene kanaal (FAM) en 0,02 voor het gele kanaal (HEX). Deze waarden worden automatisch ingesteld in het *therascreen* EGFR Assay Package. De controles van de run (PC, NTC en de IC) worden beoordeeld om te controleren of de  $C_T$ -waarden binnen het aanvaardbare bereik liggen en of de reacties naar behoren hebben plaatsgevonden.

Voor elke mutatie-assay worden de  $\Delta C_T$ -waarden van het monster berekend met behulp van de volgende vergelijking:

$$\Delta C_T = [C_T\text{-waarde van de mutatie-assay}] - [C_T\text{-waarde van de controle-assay}]$$



Monsters worden geclassificeerd als positief voor een mutatie als de  $\Delta C_T$ -waarde lager is dan of gelijk is aan de bovengrens voor de  $\Delta C_T$ -waarde voor die assay. Boven die waarde bevat het monster zo weinig DNA met een mutatie dat de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit deze niet kan detecteren (het percentage valt buiten de limiet van de assays) of is er in het monster geen mutatie aanwezig, wat in de rapportage wordt vermeld als 'No Mutation Detected' (Geen mutatie gedetecteerd).

Als er na mutatiereacties geen amplificatie is vastgesteld, wordt dit weergegeven als 'No Mutation Detected' (Geen mutatie gedetecteerd).  $\Delta C_T$ -waarden die zijn berekend op basis van achtergrondamplificatie zullen waarschijnlijk hoger zijn dan de bovengrens voor de  $\Delta C_T$ -waarde. Het monster wordt dan geclassificeerd als 'No Mutation Detected' (Geen mutatie gedetecteerd).

De resultaten van de assays worden weergegeven als 'Mutation Detected' (Mutatie gedetecteerd), 'No Mutation Detected' (Geen mutatie gedetecteerd), 'Invalid' (Ongeldig) of, als er een fout is opgetreden in de controlereactie van de run, 'Run Control Failed' (Controle van run mislukt). Bij de monsters waarin mutaties zijn gedetecteerd, worden specifieke mutaties vermeld. Er kunnen in een tumor meerdere mutaties aanwezig zijn. In dat geval wordt er meer dan één mutatie vermeld.

## Waarschuwingsberichten Rotor-Gene Q *therascreen* EGFR Assay Package

In Tabel 8 (op de volgende pagina) vindt u een overzicht van de waarschuwingsberichten die kunnen worden gegenereerd door het Rotor-Gene Q *therascreen* EGFR Assay Package, wat ze betekenen en welke actie er ondernomen moet worden.

Uit de naam van het waarschuwingsbericht blijkt om welke component van de kit, welk monster of welke controle het gaat en welke fout er is opgetreden.

Bijvoorbeeld:

- PC\_CTRL\_ASSAY\_FAIL = de positieve controle (PC) van de controle-assay (CTRL\_ASSAY) is mislukt (FAIL)
  - NTC\_INT\_CTRL\_FAIL = de controle zonder template (NTC), de interne controle (INT\_CTRL) is mislukt (FAIL)
- SAMPLE\_CTRL\_HIGH\_CONC = het monster (SAMPLE), de controle-assay (CTRL) heeft een hoge concentratie (HIGH\_CONC).

**Tabel 8. Waarschuwingsberichten, betekenis en te ondernemen actie**

Waarschuwingsbericht	Betekenis	Actie
PC_CTRL_ASSAY_FAIL	Ongeldige PCR-run – C <sub>T</sub> -waarde voor FAM voor positieve controle buiten bereik bij controlereactie.	Herhaal de volledige PCR-run.
PC_MUTATION_ASSAY_FAIL	Ongeldige PCR-run – C <sub>T</sub> -waarde voor FAM buiten bereik voor een of meer mutatiecontrolereacties.	Herhaal de volledige PCR-run.
PC_CTRL_INVALID_DATA	Ongeldige PCR-run – fluorescentiegegevens in positieve controle (controlereactiemengsel) kunnen niet worden geïnterpreteerd.	Herhaal de volledige PCR-run.
PC_MUTATION_INVALID_DATA	Ongeldige PCR-run – fluorescentiegegevens in positieve controle (mutatiereactiemengsel) kunnen niet worden geïnterpreteerd.	Herhaal de volledige PCR-run.
NTC_INT_CTRL_FAIL	Ongeldige PCR-run – interne controle hoger dan bereik voor negatieve controle.	Herhaal de volledige PCR-run.
NTC_INT_CTRL_EARLY_CT	Ongeldige PCR-run – interne controle lager dan bereik voor negatieve controle.	Herhaal de volledige PCR-run.
NTC_INVALID_CT	Ongeldige PCR-run – FAM ongeldig (lager dan ondergrens) voor negatieve controle.	Herhaal de volledige PCR-run.

Waarschuwingbericht	Betekenis	Actie
NTC_INVALID_DATA	Ongeldige PCR-run – fluorescentiegegevens in negatieve controle kunnen niet worden geïnterpreteerd.	Herhaal de volledige PCR-run.
SAMPLE_CTRL_INVALID_DATA	Monster ongeldig – fluorescentiegegevens in monstercontrole kunnen niet worden geïnterpreteerd.	Zet een nieuwe PCR-run op om het/de ongeldige monster(s) opnieuw te verwerken.
SAMPLE_CTRL_HIGH_CONC	Monster ongeldig – $C_T$ -waarde voor FAM te laag in monstercontrole.	Verdun het monster voor een hogere $C_T$ -waarde van de controle. Ga er bij het berekenen van deze verdunning vanuit dat een verdunning van 1:1 met het in de kit geleverde water leidt tot een toename van de $C_T$ -waarde met 1,0; zet na verdunning van het monster een nieuwe run voor de beoordeling van mutaties op om het monster opnieuw te verwerken. Als het monster is verdund na de run voor de beoordeling van het DNA in het monster, gaat u meteen verder met de run voor de detectie van EGFR-mutaties met het verdunde monster.
SAMPLE_CTRL_FAIL	Monster ongeldig – $C_T$ -waarde voor FAM te hoog in monstercontrolereactie.	Zet een nieuwe PCR-run op om het monster opnieuw te verwerken. Indien het monster ook bij de herhaalde PCR-run ongeldig blijkt en de hoeveelheid DNA nog steeds onvoldoende is, voer dan een extractie uit op twee extra FFPE-weefselcoupes, indien beschikbaar. Zet een nieuwe PCR-run op om dit geëxtraheerde weefsel te testen. Indien het monster ongeldig is, herhaalt u de PCR-run met het tweede nieuwe monster. Als er na deze run nog steeds geen geldig resultaat is verkregen, krijgt het monster de mutatiestatus 'onbepaald' en wordt het niet verder getest.

Waarschuwingbericht	Betekenis	Actie
SAMPLE_INT_CTRL_FAIL	C <sub>T</sub> -waarde te hoog (of geen C <sub>T</sub> -waarde) voor interne controle (HEX), FAM-kanaal negatief voor mutaties.	<p>Voor monsters waarbij een waarschuwingbericht SAMPLE_POSITIVE_AND_INVALID (MONSTER_POSITIEF_EN_ONGELDIG) wordt gegenereerd terwijl er een mutatie is gedetecteerd (of niet gedetecteerd) in een klinisch relevant mutatiereactiemengsel – rapporteer de resultaten, verder testen is niet nodig.</p> <p>Verdun het monster met het in de kit geleverde water. Ga er daarbij vanuit dat een verdunning van 1:1 leidt tot een toename van de C<sub>T</sub>-waarde van de controlereactie met 1,0. Zorg ervoor dat het uiteindelijke volume groter is dan 40 µl (bijv. 40 µl DNA en 40 µl water uit het buisje waarop DIL staat vermeld).</p> <p>Zet een nieuwe PCR-run op om het monster opnieuw te verwerken. Als het monster bij de herhaalde PCR-run weer een ongeldig resultaat geeft, voer dan een nieuwe extractie uit op nog twee FFPE-coupes. Zet een nieuwe PCR-run op om dit geëxtraheerde weefsel te testen.</p> <p>Verdun de tweede extractie zoals hierboven beschreven als het resultaat ongeldig is.</p> <p>Als er na deze run nog steeds geen geldig resultaat is verkregen, krijgt het monster de mutatiestatus 'onbepaald' en wordt het niet verder getest.</p>
SAMPLE_INT_CTRL_EARLY_CT	Mutatiebuisje ongeldig – C <sub>T</sub> -waarde voor HEX te laag voor monster (interne controle).	<p>Voor monsters waarbij een waarschuwingbericht SAMPLE_POSITIVE_AND_INVALID (MONSTER_POSITIEF_EN_ONGELDIG) wordt gegenereerd terwijl er een mutatie is gedetecteerd (of niet gedetecteerd) in een klinisch relevant mutatiereactiemengsel – rapporteer de resultaten, verder testen is niet nodig.</p> <p>Zet een nieuwe PCR-run op om het monster opnieuw te verwerken. Als de herhaalde PCR-run een ongeldig resultaat oplevert, voer dan een extractie uit op nog twee FFPE-weefselcoupes, indien beschikbaar. Zet een nieuwe PCR-run op om dit geëxtraheerde weefsel te testen. Indien het resultaat ongeldig is, herhaalt u de PCR-run met het tweede nieuwe monster. Als er na deze run nog steeds geen geldig resultaat is verkregen, krijgt het monster de mutatiestatus 'onbepaald' en wordt het niet verder getest.</p>

Waarschuwingbericht	Betekenis	Actie
SAMPLE_INVALID_DATA	Mutatiebuisje ongeldig – fluorescentiegegevens in interne controle kunnen niet worden geïnterpreteerd.	<p>Voor monsters waarbij een waarschuwingbericht SAMPLE_POSITIVE_AND_INVALID (MONSTER_POSITIEF_EN_ONGELDIG) wordt gegenereerd terwijl er een mutatie is gedetecteerd (of niet gedetecteerd) in een klinisch relevant mutatiereactiemengsel – rapporteer de resultaten, verder testen is niet nodig.</p> <p>Zet een nieuwe PCR-run op om het monster opnieuw te verwerken. Als de herhaalde PCR-run een ongeldig resultaat oplevert, voer dan een extractie uit op nog twee FFPE-weefselcoupons, indien beschikbaar. Zet een nieuwe PCR-run op om dit geëxtraheerde weefsel te testen. Indien het resultaat ongeldig is, herhaalt u de PCR-run met het tweede nieuwe monster. Als er na deze run nog steeds geen geldig resultaat is verkregen, krijgt het monster de mutatiestatus 'onbepaald' en wordt het niet verder getest.</p>

Waarschuwingbericht	Betekenis	Actie
SAMPLE_POSITIVE_AND_INVALID	Een of meer mutaties voor een monster zijn positief, maar tegelijkertijd zijn er een of meer mutaties voor hetzelfde monster ongeldig.	<p>Voor monsters waarbij een waarschuwingbericht SAMPLE_POSITIVE_AND_INVALID (MONSTER_POSITIEF_EN_ONGELDIG) wordt gegenereerd terwijl er een mutatie is gedetecteerd (of niet gedetecteerd) in een klinisch relevant mutatiereactiemengsel – rapporteer de resultaten, verder testen is niet nodig.</p> <p>Voor monsters waarbij een waarschuwingbericht SAMPLE_POSITIVE_AND_INVALID (MONSTER_POSITIEF_EN_ONGELDIG) wordt gegenereerd terwijl er een ONGELDIG resultaat wordt verkregen voor een klinisch relevant mutatiereactiemengsel, moet u het monster opnieuw testen met alle reactiemengsels. Voer daarbij de specifieke actie uit die wordt aangegeven in het waarschuwingbericht.</p> <p>Als er een SAMPLE_INT_CTRL_FAIL-waarschuwingbericht wordt gegenereerd in combinatie met een ander waarschuwingbericht voor het desbetreffende monster, moet het monster worden verdund zoals aangegeven in het SAMPLE_INT_CTRL_FAIL-waarschuwingbericht. Zet een nieuwe PCR-run op en test het monster opnieuw.</p> <p>Voor monsters waarbij een waarschuwingbericht SAMPLE_POSITIVE_AND_INVALID (MONSTER_POSITIEF_EN_ONGELDIG) wordt gegenereerd terwijl een ONGELDIG resultaat wordt verkregen voor een klinisch relevant mutatiereactiemengsel, voer dan een nieuwe extractie uit op nog twee FFPE-coupes. Zet een nieuwe PCR-run op met alle reactiemengsels om dit geëxtraheerde weefsel te testen.</p> <p>Als dit monster opnieuw een ongeldig resultaat oplevert voor een klinisch relevant mutatiereactiemengsel, moet u het monster opnieuw testen met alle reactiemengsels. Voer daarbij de specifieke actie uit die wordt aangegeven in het waarschuwingbericht. Als er een SAMPLE_INT_CTRL_FAIL-waarschuwingbericht wordt gegenereerd in combinatie met een ander waarschuwingbericht voor het desbetreffende monster, moet het monster worden verdund zoals aangegeven in het SAMPLE_INT_CTRL_FAIL-waarschuwingbericht. Zet een nieuwe PCR-run op en test dit monster opnieuw.</p> <p>Als er bij deze herhaling een SAMPLE_POS_AND_INVALID-waarschuwingbericht wordt weergegeven, krijgt het monster de mutatiestatus 'onbepaald'.</p>

# Problemen oplossen

Dit gedeelte kan nuttig zijn bij het oplossen van eventuele problemen. Raadpleeg voor meer informatie ook de pagina met veelgestelde vragen in ons centrum voor technische ondersteuning: [www.qiagen.com/FAQ/FAQList.aspx](http://www.qiagen.com/FAQ/FAQList.aspx). De wetenschappers bij de technische dienst van QIAGEN beantwoorden graag uw vragen over de informatie en protocollen in deze handleiding of over monster- en assaytechnologieën (zie voor contactgegevens de achterzijde van deze handleiding of ga naar [www.qiagen.com](http://www.qiagen.com)).

## Opmerkingen en suggesties

---

### NTC-monsters hebben een positief resultaat in het groene FAM-kanaal

Er is besmetting opgetreden tijdens de voorbereiding van de PCR

Voer de PCR opnieuw uit met nieuwe reagentia met herhalingen.  
Sluit indien mogelijk de PCR-buisjes direct na toevoeging van het te testen monster af.  
Zorg ervoor dat de werkruimte en apparaten regelmatig worden ontsmet.

### Geen signaal met de positieve controle voor EGFR

- |                                                                                                                                                   |                                                                                                                                                                                                 |
|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| a) Het gekozen fluorescentiekanaal voor de analyse van PCR-gegevens komt niet overeen met het protocol                                            | Voor de analyse van gegevens kiest u het fluorescentiekanaal Cycling Green voor de PCR voor de beoordeling op EGFR en het fluorescentiekanaal Cycling Yellow voor de PCR voor interne controle. |
| b) Onjuiste programmering van het temperatuurprofiel van het Rotor-Gene Q-instrument                                                              | Vergelijk het temperatuurprofiel met het protocol. Herhaal de run als het incorrect is.                                                                                                         |
| c) Onjuiste configuratie van de PCR                                                                                                               | Controleer uw werkstappen aan de hand van het pipetteerschema en herhaal zo nodig de PCR.                                                                                                       |
| d) De opslagomstandigheden voor een of meer kitcomponenten kwamen niet overeen met de instructies in 'Opslag en verwerking reagentia' (pagina 19) | Controleer de opslagomstandigheden en de houdbaarheidsdatum (zie het etiket van de kit) van de reagentia en gebruik indien nodig een nieuwe kit.                                                |

#### Opmerkingen en suggesties

---

- |                                                                                       |                                                                                                                                                  |
|---------------------------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| e) De uiterste gebruiksdatum van de <i>therascreen</i> EGFR RGQ PCR-kit is verstreken | Controleer de opslagomstandigheden en de houdbaarheidsdatum (zie het etiket van de kit) van de reagentia en gebruik indien nodig een nieuwe kit. |
|---------------------------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|

## Kwaliteitscontrole

In overeenstemming met het ISO-gecertificeerde kwaliteitsbeheersysteem van QIAGEN wordt elke partij van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit getest ten opzichte van vooraf vastgestelde specificaties om een consistente productkwaliteit te garanderen.

## Beperkingen

De resultaten van het product moeten worden geïnterpreteerd met inachtneming van alle relevante klinische bevindingen en laboratoriumuitslagen en mogen niet afzonderlijk worden gebruikt voor diagnose.

Het product dient uitsluitend te worden gebruikt door personeel dat specifiek is geïnstrueerd en getraind op het gebied van procedures voor in-vitrodiagnostiek en Rotor-Gene Q MDx-instrumenten.

Het product is uitsluitend bedoeld voor gebruik op een Rotor-Gene Q MDx real-time PCR cycler.

Voor optimale resultaten dienen de aanwijzingen in de *Handleiding voor de theascreen EGFR RGQ PCR-kit* strikt te worden opgevolgd. Andere verdunning van de reagentia dan de verdunning zoals die in deze handleiding wordt aangegeven, wordt niet aanbevolen en leidt tot verminderde prestaties.

Het is van belang de hoeveelheid en de kwaliteit van het DNA in het monster te bepalen voordat het monster wordt geanalyseerd met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit. De kit bevat



extra controlereactiemix om te bepalen of de C<sub>T</sub>-waarde aanvaardbaar is voor de assay. Gebruik hiervoor geen absorptiemetingen. De resultaten daarvan komen niet overeen met de C<sub>T</sub>-waarden van monsters waarin het DNA gefragmenteerd is.

Let goed op de vervaldatum en opslagomstandigheden die staan vermeld op het etiket op de doos en op de etiketten van elk van de componenten. Gebruik geen componenten waarvan de vervaldatum is verstreken of die onjuist zijn bewaard.

# Prestatiekenmerken

## Analyseprestaties

De specifieke prestatiekenmerken van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit zijn vastgesteld door middel van onderzoeken met FFPE-weefselmonsters afgenomen van NSCLC-patiënten en in formaline gefixeerde, in paraffine ingebedde menselijke cellijnen (FFPE-cellijnen). De FFPE-cellijnen werden gegenereerd met een cellijn van longcarcinoom (A549); hieraan werden cellijnen onttrokken waarin de gewenste specifieke EGFR-mutaties aanwezig waren. Waar er geen weefselmonsters of cellijnen beschikbaar waren, werd plasmide-DNA gebruikt.

## Blanco bovengrens (limit of blank, LOB), werkbereik en limietwaarden

In een onderzoek werden in totaal 417 FFPE-monsters getest volgens de richtlijnen in document EP17-A (2004) (12) van de NCCLS om de LOB en limietwaarden voor elke mutatie-assay te bepalen. Ook werd het werkbereik vastgesteld. De limietwaarden werden bepaald; deze worden weergegeven in Tabel 9.

Tabel 9. Vastgestelde limietwaarden voor elke mutatie-assay

Assay	Limietwaarde (ΔCT)
T790M	≤ 7,40
Deleties	≤ 8,00
L858R	≤ 8,90

Assay	Limietwaarde ( $\Delta C_T$ )
L861Q	$\leq 8,90$
G719X	$\leq 8,90$
S768I	$\leq 8,90$
Inserties	$\leq 8,00$

Het bereik voor de  $C_T$ -waarde van de controlereactie werd vastgesteld op een  $C_T$ -waarde tussen 23,70 en 31,10.

De limietwaarden en de werkbereiken voor de assays werden geverifieerd met behulp van normen en verdere FFPE-monsters. Tijdens de verificatie werden de limietwaarden beoordeeld op het vermogen de juiste mutatie te herkennen tegen een achtergrond van wild-type DNA door elke assay met een hoog gehalte genomisch DNA in het uitgangsmateriaal en een hoog gehalte mutatie in het uitgangsmateriaal te beoordelen (zie 'Kruisreactiviteit' op pagina 59). Ook werd het effect van het DNA in het uitgangsmateriaal op het vinden en vaststellen van de mutatie beoordeeld (zie 'Effect van DNA in het uitgangsmateriaal op de  $\Delta C_T$ -waarden' op pagina 58).

Om de prestaties van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit te beoordelen zonder template en om zeker te weten dat een blanco monster of een monster met wild-type DNA geen analytisch signaal genereert dat kan duiden op een lage concentratie van een mutatie, werden er monsters zonder template en wild-type EGFR-DNA van NSCLC beoordeeld. Bij de resultaten werden er geen NTC-monsters en wild-type FFPE-monsters positief bevonden voor de mutaties.

## Effect van DNA in het uitgangsmateriaal op de $\Delta C_T$ -waarden

De uitgangskoncentratie DNA wordt gedefinieerd als de totale hoeveelheid amplificeerbaar EGFR-DNA in een monster, zoals vastgesteld op basis van de  $C_T$ -waarden van de controlereactie. Om aan te tonen dat de prestaties van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit consistent zijn over het volledige bereik voor de  $C_T$ -waarde van de controlereactie (23,70–31,10) werden alle zeven EGFR-mutatie-assays getest aan de hand van een zespunts, 1 op

---

3 verdunningsreeks (DNA verkregen uit FFPE-cellijnen door middel van extractie). De  $C_T$ -doelwaarde voor verdunning 1 voor elke mutatie was ongeveer 24,70. De laatste verdunning, die een  $C_T$ -waarde opleverde van ongeveer 32–33, viel buiten het bereik van de  $C_T$ -waarde voor de controle-Reactie. In het algemeen waren de  $\Delta C_T$ -waarden die werden gemeten bij verschillende uitgangskonzentraties DNA consistent over het volledige werkbereik van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit.

## Kruisreactiviteit

Er werd wild-type EGFR-DNA met een hoge concentratie DNA in het uitgangsmateriaal getest om niet-specifieke amplificatie te beoordelen. Uit de resultaten bleek dat de laagste  $\Delta C_T$ -waarden buiten de vastgestelde limietwaarden vielen, wat inhoudt dat er geen non-specifieke amplificatie had plaatsgevonden.

Er werden FFPE-cellijnen met een hoge concentratie DNA in het uitgangsmateriaal getest met alle reactiemengsels om eventuele kruisreactiviteit te beoordelen. De resultaten vertoonden geen invloed van kruisreactiviteit tussen mutatiereacties. De minimale  $\Delta C_T$ -waarden waren allemaal hoger dan de respectievelijke assaylimietwaarden voor alle niet-overeenkomende reactiemengsels en DNA-monsters.

---

## Nauwkeurigheid: vergelijking met de analytische referentiemethode

In een onderzoek werd aangetoond dat de mutatiedetectie die met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit werd bereikt, overeenkomt met de bidirectionele Sanger-sequentieanalyse. In dit onderzoek werden 360 FFPE-monsters getest.

Monsters waarvoor zowel de Sanger-analyse als de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit geldige resultaten opleverden, werden geanalyseerd ter beoordeling van het percentage positieve overeenstemming (positive percent agreement, PPA), het percentage negatieve overeenstemming (negative percent agreement, NPA) en het percentage totale overeenstemming (overall percent agreement, OPA). U vindt een overzicht van deze percentages en de bijbehorende tweezijdige 95%-betrouwbaarheidsintervallen (BI) in Tabel 10.

**Tabel 10. Analyse van overeenstemming**

Maat	Percentage overeenstemming (N)	95% BI
Percentage positieve overeenstemming	99,4% (157/158)	96,5%–100,0%
Percentage negatieve overeenstemming	86,6% (175/202)	81,2%–91,0%
Percentage totale overeenstemming	92,2% (332/360)	89,0%–94,8%

Voor de 28 strijdige resultaten bij het percentage totale overeenstemming:

- 1 (3,6%) monster was wild-type (d.w.z. geen mutatie gedetecteerd) met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit, maar met Sanger-sequencing werd wel een mutatie gedetecteerd.
- Bij 27 (96,4%) monsters werd een mutatie gedetecteerd met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit, maar ging het volgens Sanger-sequencing om wild-type DNA.

## Waarden voor de detectielimiet (LOD)

Er werd een onderzoek uitgevoerd om de LOD voor elk van de 29 EGFR-mutaties vast te stellen. De LOD werd gedefinieerd als de kleinste hoeveelheid mutant DNA tegen een achtergrond van wild-type DNA waarbij een monster met mutaties een mutatiepositief resultaat oplevert bij 95% van de testresultaten ( $C_{95}$ ).

Om de LOD voor elke mutatie te bepalen, werden monsters met verschillende mutatiepercentages bereid met een lage en hoge uitgangskoncentratie DNA. Deze werden vervolgens getest met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit (Tabel 11). Voor elke assay werd de LOD berekend door middel van logistische regressie. Om de LOD te verifiëren, werden er mutatiemonsters bij de vastgestelde LOD getest en werd het percentage positieve tests geverifieerd.

**Tabel 11. LOD vastgesteld met klinische FFPE-monsters, FFPE-cellijnen of plasmiden met een lage en hoge uitgangskoncentratie DNA**

Exon	Mutatie	ID-nummer COSMIC*	Baseverandering	LOD (% met mutatie)	
				Laag	Hoog
18	G719A	6239	2156G>C	7,41 <sup>†</sup>	1,57 <sup>†</sup>
	G719S	6252	2155G>A	5,08 <sup>†</sup>	7,75 <sup>§</sup>
	G719C	6253	2155G>T	10,30 <sup>†</sup>	– <sup>¶</sup>
19	Deleties	12384	2237_2255>T	1,58 <sup>§</sup>	0,49 <sup>§</sup>
		12387	2239_2258>CA	4,91 <sup>†</sup>	1,48 <sup>†</sup>
		12419	2238_2252>GCA	16,87 <sup>†</sup>	12,47 <sup>†</sup>
		12422	2238_2248>GC	3,24 <sup>†</sup>	1,65 <sup>†</sup>
		13551	2235_2252>AAT	4,24 <sup>†</sup>	1,41 <sup>†</sup>
		12678	2237_2251del15	0,55 <sup>§</sup>	0,24 <sup>§</sup>
		6218	2239_2247del9	8,47 <sup>†</sup>	– <sup>¶</sup>
		12728	2236_2253del18	2,43 <sup>†</sup>	– <sup>¶</sup>
		12367	2237_2254del18	2,72 <sup>†</sup>	– <sup>¶</sup>
		6210	2240_2251del12	4,09 <sup>†</sup>	– <sup>¶</sup>
		6220	2238_2255del18	2,70 <sup>†</sup>	0,82 <sup>†</sup>
		6223	2235_2249del15	6,40 <sup>†</sup>	1,63 <sup>†</sup>
		6225	2236_2250del15	2,80 <sup>†</sup>	1,42 <sup>†</sup>
		6254	2239_2253del15	0,86 <sup>§</sup>	0,47 <sup>§</sup>
		6255	2239_2256del18	0,14 <sup>§</sup>	0,05 <sup>§</sup>
		12369	2240_2254del15	4,94 <sup>§</sup>	1,56 <sup>§</sup>
		12370	2240_2257del18	8,10 <sup>§</sup>	2,08 <sup>§</sup>
		12382	2239_2248TTAAGAGAAG>C	0,25 <sup>§</sup>	0,10 <sup>§</sup>
		12383	2239_2251>C	4,58 <sup>§</sup>	1,74 <sup>§</sup>
20	S768I	6241	2303G>T	7,66 <sup>†</sup>	2,18 <sup>†</sup>
	Inserties	12376	2307_2308insGCCAGCGTG	11,61 <sup>†</sup>	– <sup>¶</sup>
		12378	2310_2311insGGT	4,91 <sup>†</sup>	1,31 <sup>†</sup>
		12377	2319_2320insCAC	2,40 <sup>†</sup>	0,65 <sup>†</sup>
	T790M	6240	2369C>T	9,72 <sup>†</sup>	5,09 <sup>†</sup>

Exon	Mutatie	ID-nummer COSMIC*	Baseverandering	LOD (% met mutatie)	
				Laag	Hoog
21	L858R	6224	2573T>G	5,94 <sup>†</sup>	1,13 <sup>†</sup>
	L861Q	6213	2582T>A	2,22 <sup>†</sup>	0,66 <sup>†</sup>

\* COSMIC: Catalogue of somatic mutations in cancer: <http://cancer.sanger.ac.uk/>.

<sup>†</sup> LOD-waarden werden vastgesteld op basis van cellijnen

<sup>‡</sup> LOD-waarden werden vastgesteld op basis van plasmiden

<sup>§</sup> LOD-waarden werden vastgesteld op basis van klinische monsters

<sup>†</sup> Niet beoordeeld

## Verstoring

### Effecten van necrotisch weefsel

Wanneer klinische FFPE NSCLC-monsters, zowel monsters met EGFR-mutatie als wild-type monsters, voor maximaal 50% uit necrotisch weefsel bestonden, had dit geen invloed op de resultaten van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit.

### Exogene stoffen

Op monsters met mutaties en wild-type monsters werden tests uitgevoerd met de volgende mogelijk interfererende stoffen die aanwezig zijn bij het proces van DNA-extractie, met een concentratie van 10x: paraffinewas, xyleen, ethanol en proteïnase K. Uit de resultaten bleek dat deze stoffen geen interferentie veroorzaakten met de resultaten van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit.

## Reproduceerbaarheid

### Reproduceerbaarheid tussen partijen

Het testsysteem met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit omvat twee afzonderlijke kits: de QIAamp DSP DNA FFPE-weefselkit of QIAamp DNA FFPE-weefselkit voor de isolatie van DNA, en de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit voor de amplificatie van DNA en het vaststellen van de EGFR-mutatiestatus. De reproduceerbaarheid en uitwisselbaarheid tussen partijen werden aangetoond met drie partijen van de QIAamp DSP DNA FFPE-weefselkit en drie partijen van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit. Het totale percentage correcte resultaten tussen partijen was voor EGFR-mutatie-assays 97,8% (317/324) en voor wild-type monsters 100% (379/379).

### Hantering van monsters

De reproduceerbaarheid van de QIAamp DSP DNA FFPE-weefselkit werd onderzocht op basis van coupes van drie FFPE-monsterblokken, specifiek voor de deletiemutatie in exon 19 (2235-2249 del15), de mutatie L858R in exon 21 en één wild-type. Voor elk monster werden op drie locaties extracties uitgevoerd in tweevoud. Deze werden op drie niet-openvolgende dagen getest binnen een periode van zes dagen. Dit leverde in totaal 18 gegevenspunten per monster op. Op elke locatie voerden twee operatoren de tests uit met één partij van de QIAamp DSP DNA FFPE-weefselkit (één partij per locatie, drie locaties in totaal) in combinatie met reagentia van *therascreen* EGFR RGQ PCR-kits uit dezelfde partij op alle drie de locaties. Alle resultaten van de monsters met mutaties en wild-type monsters waren geldig en leverden de verwachte resultaten op (correct resultaat = 100%, 18/18 voor elk monster). Dit bevestigt de reproduceerbaarheid en herhaalbaarheid voor de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit bij de pre-analysestap van DNA-isolatie.



---

## Precisie en reproduceerbaarheid

De precisie en reproduceerbaarheid van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit werden onderzocht door DNA te testen dat door extractie was verkregen uit klinische FFPE NSCLC-monsters of FFPE-cellijnen. Hierbij waren alle zeven mutatie-assays in de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit vertegenwoordigd. Ook werden er klinische wild-type FFPE NSCLC-monsters opgenomen in het onderzoek (tabel 12).

In een matrixonderzoeksopzet werd de reproduceerbaarheid van assays beoordeeld door monsters te testen in drie laboratoria (locaties), met drie partijen van de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit (drie partijen verspreid over drie locaties), met twee operatoren per locatie, op twee instrumenten per locatie. Elk monster (geprepareerd tot een concentratie dicht bij de LPD) werd in tweevoud getest binnen in totaal 16 dagen. De reproduceerbaarheid voor elke afzonderlijke mutatie werd op elke locatie uitgevoerd op niet-openvolgende dagen. Het aandeel correcte resultaten wordt weergegeven in Tabel 12 op de volgende pagina.

**Tabel 12. Reproduceerbaarheid van assays - aandeel correcte resultaten voor geteste EGFR-mutaties**

Exon	Mutatie	ID-nummer COSMIC*	Resultaten		% Correct
			Correct/totaal	% Correct	Lager eenzijdig 95% BI
18	G719A	6239	77/78	98,72	94,06
19	Deleties	12384	92/92	100	96,80
		12387	95/95	100	96,90
		12419	83/83	100	96,46
		12422	94/94	100	96,86
		13551	95/95	100	96,90
		6220	96/96	100	96,93
		6223	95/95	100	96,90
		6225	91/95	95,79	90,62
		6254	92/92	100	96,80
		6255	94/96	97,92	93,59
		12369	95/95	100	96,90
		12370	62/63	98,41	92,69
		12382	92/95	96,84	92,04
		12383	93/93	100	96,83
20	S768I	6241	82/82	100	96,41
	Inserties	12376	92/92	100	96,80
		12378	93/93	100	96,83
		12377	94/94	100	96,86
	T790M	6240	92/92	100	96,80
21	L858R	6224	83/84	98,81	94,48
	L861Q	6213	84/84	100	96,50
Wild-type	—	—	77/78	98,72	94,06

\* COSMIC: Catalogue of somatic mutations in cancer: <http://cancer.sanger.ac.uk/>.

De standaarddeviatie en 95% betrouwbaarheidsintervallen voor de variabiliteit binnen een run, tussen runs, tussen dagen, tussen partijen en tussen locaties werden geschat met behulp

van een variantieanalyse. Over alle variantiecomponenten genomen bedroeg de totale variatiecoëfficiënt (coefficient of variation, CV)  $\leq 14,11\%$  voor alle geteste EGFR-mutaties. Over alle panel-onderdelen met mutaties bedroeg de procentuele CV  $\leq 8,33\%$  tussen partijen, tussen dagen en tussen runs. De procentuele CV voor de variabiliteit binnen een run (herhaalbaarheid/precisie) liep uiteen van 5,99% tot 13,49%.

## Klinische prestaties

### Klinische uitkomstgegevens: GIOTRIF®

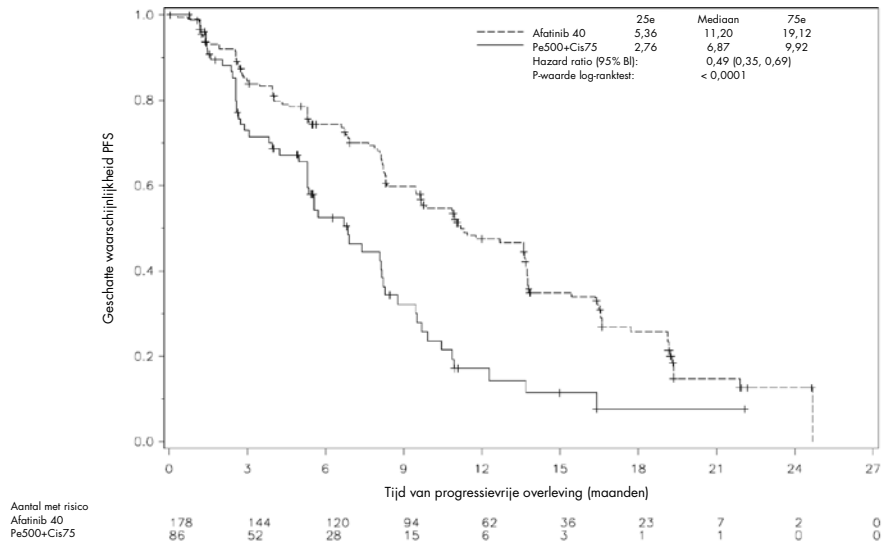
Het klinische LUX-Lung 3-onderzoek was een internationaal, open-label, gerandomiseerd fase 3-onderzoek in meerdere centra naar afatinib versus chemotherapie als eerstelijnsbehandeling voor patiënten met adenocarcinoom in stadium IIIB of IV in de long met een activerende mutatie in het EGFR-gen (ClinicalTrials.gov; nummer NCT00949650). Er werd vastgesteld of patiënten in aanmerking kwamen voor insluiting in het onderzoek door de EGFR-mutatiestatus van de patiënt te testen met de Clinical Trial Assay (CTA). De weefselmonsters werden retrospectief getest met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit. Om de overeenstemming tussen de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit en de CTA te beoordelen, werd een overbruggingsonderzoek uitgevoerd.

Op basis van de CTA-testresultaten werden er 345 patiënten opgenomen in de gerandomiseerde set (afatinib: 230 patiënten; chemotherapie: 115 patiënten). Het primaire werkzaamheidseindpunt was progressievrije overleving (progression-free survival, PFS) zoals beoordeeld door een onafhankelijke beoordelingscommissie (independent review committee, IRC). Tumormonsters van 264 van de 345 gerandomiseerde patiënten (afatinib: 178 patiënten; chemotherapie: 86 patiënten) werden retrospectief getest met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit. Door de IRC werd een statistisch significante verbetering van de PFS vastgesteld voor patiënten die waren gerandomiseerd naar afatinib vergeleken met patiënten die waren gerandomiseerd naar chemotherapie, zowel in de totale CTA+-populatie als in de *therascreen* EGFR RGQ PCR Kit+/CTA+-populatie. De volledige werkzaamheidsresultaten worden weergegeven in Tabel 13 en afbeelding 19.

Tabel 13. Klinisch voordeel van patiënten getest met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit in de populatie van het klinische onderzoek LUX-Lung 3

Parameter	<i>therascreen</i> EGFR RGQ PCR-kit+/ CTA+-populatie n = 264		CTA+-populatie, n = 345	
	Chemotherapie n = 86	Afatinib n = 178	Chemotherapie n = 115	Afatinib n = 230
<b>Progressievrije overleving (PFS)</b>				
Aantal gevallen van overlijden of progressie, N (%)	53 (61,6%)	120 (67,4%)	69 (60,0%)	152 (66,1%)
Mediane PFS (maanden)	6,9	11,2	6,9	11,1
Mediane PFS 95% BI	5,3; 8,2	9,7; 13,7	5,4; 8,2	9,6; 13,6
Hazard ratio	0,49		0,58	
Hazard ratio 95% BI	0,35; 0,69		0,43; 0,78	
P-waarde (gestratificeerde log-ranktest)*	< 0,0001		< 0,001	

\*Gestratificeerd op EGFR-mutatiestatus en ras.



Afbeelding 19. Kaplan-Meier-curve van progressievrije overleving (PFS) op basis van onafhankelijke beoordeling per behandelingsgroep (*therascreen* EGFR RGQ PCR Kit+/-CTA+-populatie).

Uit analyse van de *therascreen* EGFR RGQ PCR Kit+/CTA+-subset (n = 264) bleek dat patiënten die werden behandeld met afatinib een significant langere PFS-tijd hadden (mediane PFS 11,2 versus 6,9 maanden) en minder kans hadden op progressieve ziekte of overlijden (HR = 0,49, 95 % BI [0,35; 0,69],  $p < 0,0001$ ) dan patiënten die werden behandeld met chemotherapie. Het waargenomen klinische voordeel in de subset patiënten die werd getest met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit, was vergelijkbaar met het voordeel dat werd waargenomen in de volledige onderzoekspopulatie (n = 345).

## Klinische uitkomstgegevens: IRESSA®

Het IRESSA Follow-up Measure (IFUM)-onderzoek was een open-label fase 4-onderzoek met één groep (NCT01203917) voor het vaststellen van de werkzaamheid en veiligheid/verdraagbaarheid van gefitinib als eerstelijnsbehandeling bij Kaukasische patiënten met EGFR-mutatiepositieve, lokaal gevorderde of gemetastaseerde NSCLC in stadium IIA/B/IV. Het IFUM-onderzoek werd opgezet ter beoordeling van het objectieve responspercentage op basis van RECIST-criteria bij prospectief geselecteerde Kaukasische patiënten met NSCLC met EGFR-mutatie.

Om in aanmerking te komen, moesten patiënten een deletie in EGFR-exon 19 of een substitutiemutatie van L858R, L861Q of G719X, en geen T790M- of S768I-mutatie of inserties in exon 20 hebben in tumormonsters, zoals prospectief vastgesteld door de Clinical Trial Assay (CTA). De monsters van patiënten die voor het klinische IFUM-trial waren gescreend, werden retrospectief getest met de companion diagnostic *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit. Om de overeenstemming te beoordelen tussen de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit en de CTA die was gebruikt voor de selectie van patiënten voor het klinische IFUM-onderzoek, werd een overbruggingsonderzoek uitgevoerd. De algehele overeenstemming tussen de twee assays voor het detecteren van deleties in EGFR-exon 19 en mutaties van L858R bedroeg 98,2% (n = 700/713; 95% BI: 96,9%, 99,0%) met een PPA van 88,2% (n = 90/102; 95%BI: 80,4%, 93,8%) en een NPA van 99,8% (n = 610/611; 95% BI: 99,1%, 100,0%).

Er werden CTA-testresultaten verkregen voor 859 gescreende patiënten, van wie 106 patiënten in aanmerking kwamen voor behandeling met gefitinib. Van de 859 monsters met een CTA-resultaat waren er 765 monsters beschikbaar voor retrospectieve tests met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit, waarvan 87 monsters die EGFR-mutatiepositief werden bevonden door zowel de CTA als de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit.

Het belangrijkste werkzaamheidseindpunt was de objectieve mate van respons (objective response rate, ORR) zoals beoordeeld door een geblindeerde onafhankelijke centrale beoordeling (Blinded Independent Central Review, BICR) en onderzoekers. Het waargenomen klinische voordeel in de subset patiënten die werd getest met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit, was vergelijkbaar met het voordeel dat werd waargenomen in de volledige onderzoekspopulatie.

De volledige werkzaamheidsresultaten worden weergegeven in Tabel 14.

Tabel 14. Klinisch voordeel van patiënten getest met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit in de populatie van het klinische IFUM-onderzoek

Parameter	<i>therascreen</i> EGFR RGQ PCR Kit+-populatie, n = 87	CTA+-populatie, n = 106
<b>Objectieve mate van respons (ORR) volgens BICR</b>		
Aantal responsen	42	53
ORR, % (95% BI)	48,3 (38,1–58,6)	50,0 (40,6–59,4)
Mediane duur van respons (maanden)	6,9 (5,6-11,4)	6,0 (5,6-11,1)
<b>Objectieve mate van respons (ORR) volgens onderzoekers</b>		
Aantal responsen	62	74
ORR, % (95% BI)	71,3 (61,0-79,7)	69,8 (60,5-77,7)
Mediane duur van respons (maanden)	8,3 (7,2-11,3)	8,3 (7,6-11,3)

**BICR:** geblindeerde onafhankelijke centrale beoordeling; **BI:** betrouwbaarheidsinterval; **CTA:** Clinical trial assay.

**Opmerking:** Kit+ zijn positieve resultaten voor deleties in exon 19/L8585R/L861Q/G719X.

---

Omdat de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit niet was gebruikt om patiënten te selecteren voor het klinische IFUM-onderzoek werden er aanvullende werkzaamheidsanalyses uitgevoerd; zo kon er ook worden gekeken naar patiënten die niet waren opgenomen in het onderzoek omdat het testresultaat met de CTA negatief was, maar met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit mogelijk positief was geweest (oftewel *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit+/CTA-), en naar patiënten die in het onderzoek werden ingesloten maar geen geldige resultaten hadden met de hernieuwde test met de *therascreen* EGFR RGQ PCR (oftewel *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit onbekend/CTA+). De resultaten uit alle hypothetische analyses waren in het algemeen vergelijkbaar met de analyse van de primaire werkzaamheid.

# Referenties














1. Pao, W. and Miller, V.A. (2005) Epidermal growth factor receptor mutations, small molecule kinase inhibitors, and non-small-cell lung cancer: current knowledge and future directions. *J. Clin. Oncol.* **23**, 2556.
2. Johnson, B.E. and Jaenne, P.A. (2005) Epidermal growth factor receptor mutations in patients with non-small cell lung cancer. *Cancer Res.* **65**, 7525.
3. Inoue, A., et al. (2006) Prospective Phase II study of gefitinib for chemotherapy-naïve patients with advanced non-small cell lung cancer with epidermal growth factor receptor gene mutations. *J. Clin. Oncol.* **24**, 3340.
4. Asahina, H., et al. (2006) A Phase II study of gefitinib as a first-line therapy for advanced non-small cell lung cancers with epidermal growth factor receptor (EGFR) gene mutations. 42nd Ann Mtg of the American Society of Clinical Oncology (ASCO), Atlanta 2 6 June 2006. *J. Clin. Oncol.* **24** (18S) (Suppl), Abstr 13014.
5. Paz-Ares, L. et al. A prospective phase II trial of erlotinib in advanced non-small cell lung cancer (NSCLC) patients (p) with mutations in the tyrosine kinase (TK) domain of the epidermal growth factor receptor (EGFR). 42nd Ann Mtg of the American Society of Clinical Oncology (ASCO), Atlanta 2 6 June 2006. *J. Clin. Oncol.* **24** (18S) (Suppl), Abstr 7020.
6. Kobayashi, K., et al. (2008) First-line gefitinib for poor PS patients with EGFR mutations. 44th Ann Mtg of the American Society of Clinical Oncology (ASCO), Chicago 31 May 3 June 2008. *J. Clin. Oncol.* **26** (15S) (Suppl), Abstr 8070.
7. Sequist, L.V., et al. (2008) First-line gefitinib in patients with advanced non-small cell lung cancer harbouring somatic EGFR mutations. *J. Clin. Oncol.* **15**, 2442.
8. Porta, R. et al. (2008) Erlotinib customization based on epidermal growth factor receptor (EGFR) mutations in stage IV non-small-cell lung cancer (NSCLC) patients (p). *J. Clin. Oncol.* **26** (May 20 suppl), abstr 8038.



- 
9. Jaene, P.A. and Johnson, B.E. (2006) Effect of epidermal growth factor receptor tyrosine kinase domain mutations on the outcome of patients with non-small cell lung cancer treated with epidermal growth factor receptor tyrosine kinase inhibitors. *Clin. Cancer Res.* **12**, 4416s.
  10. Whitcombe, D. et al. (1999) Detection of PCR products using self-probing amplicons and fluorescence. *Nature Biotech.* **17**, 804.
  11. Thelwell, N. et al. (2000) Mode of action and application of Scorpion primers to mutation detection. *Nucleic Acids Res.* **28**, 3752.
  12. Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI) (2004). *Protocols for Determination of Limits of Detection and Limits of Quantitation: Approved Guideline*, 1st ed. CLSI Document EP-17A. Wayne, PA: Clinical and Laboratory Standards Institute (voorheen NCCLS).

# Symbolen

De volgende symbolen kunnen op de verpakking en etiketten staan:

Symbol	Definitie van symbool
 <N>	Bevat voldoende reagentia voor <N> reacties
	Uiterste gebruiksdatum
	Medisch hulpmiddel voor in-vitrodiagnostiek
	Catalogusnummer
	Partijnummer
	Materiaalnummer
	Bescherm tegen licht
	Global Trade Item Number
	Bevoegde vertegenwoordiger
<b>Rn</b>	'R' staat voor de revisie van de gebruiksaanwijzing (Handleiding); 'n' is het revisienummer
	Temperatuurbepering
	Fabrikant
	Raadpleeg de gebruiksaanwijzing
	Voorzichtig

# Appendix A: Protocol voor handmatige analyse met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit

In dit hoofdstuk vindt u instructies voor het gebruik van de *therascreen* EGFR RGQ PCR met Rotor-Gene Q-software versie 2.3 in de open modus (d.w.z. zonder het Rotor-Gene Q *therascreen* EGFR CE Assay Package te gebruiken).

## Algemene informatie

- In 'Benodigde maar niet meegeleverde materialen' op pagina 15 vindt u een lijst van de benodigde materialen.
- Raadpleeg 'Protocol: monsterbeoordeling' op pagina 22 en 'Protocol: detectie van EGFR-mutaties' op pagina 35 voor uitgebreide instructies over de bereiding van monsters en indeling van het laadblok.
- Controleer of de cyclusparameters correct zijn alvorens elke run te starten.

## Protocol: een temperatuurprofiel aanmaken

Maak vóór aanvang een temperatuurprofiel aan voor de analyse met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit. Voor de beoordeling van DNA-monsters en de detectie van EGFR-mutaties worden dezelfde cyclusparameters gebruikt.

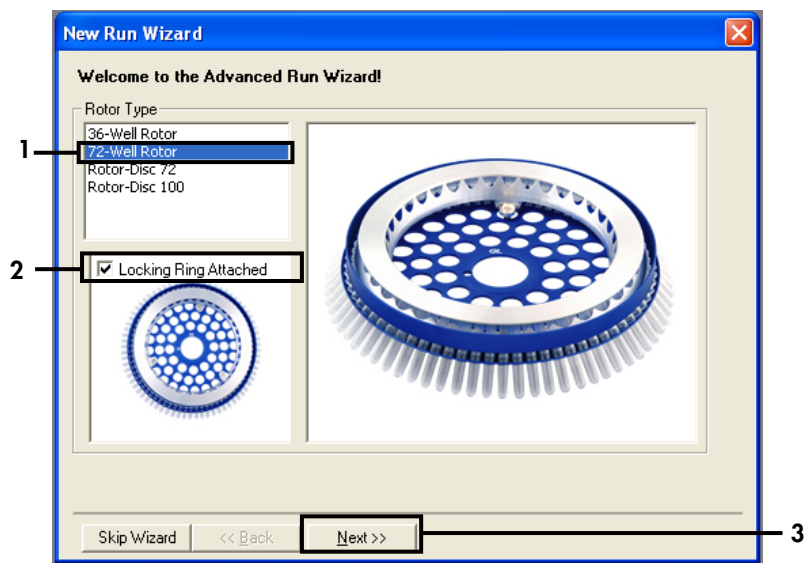
### Procedure

In Tabel 15 wordt een overzicht gegeven van de cyclusparameters.

Tabel 15. Temperatuurprofiel

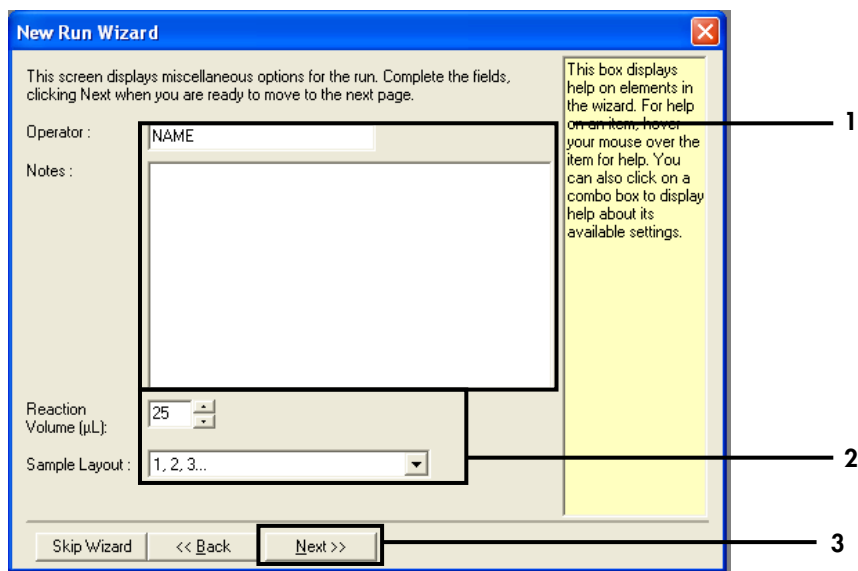
Cycli	Temperatuur	Tijd	Gegevensregistratie
1	95 °C	15 minuten	Geen
40	95 °C	30 seconden	Geen
	60 °C	60 seconden	Groen en geel

1. Dubbelklik op het pictogram voor versie 2.3 van de Rotor-Gene Q-software op het bureaublad van de computer waarop het Rotor-Gene Q MDx-instrument is aangesloten.
2. Om een nieuwe template aan te maken, selecteert u 'Empty Run' (Lege run) en vervolgens 'New' (Nieuw). U wordt nu stap voor stap door het proces geleid via de 'New Run Wizard' (Wizard voor nieuwe run).
3. Selecteer bij het rotortype de rotor met 72 plaatsen. Controleer of de vergrendelingsring is vastgezet en vink het vakje 'Locking Ring Attached' (Vergrendelingsring vastgezet) aan. Klik op 'Next' (Volgende) (afbeelding 20).



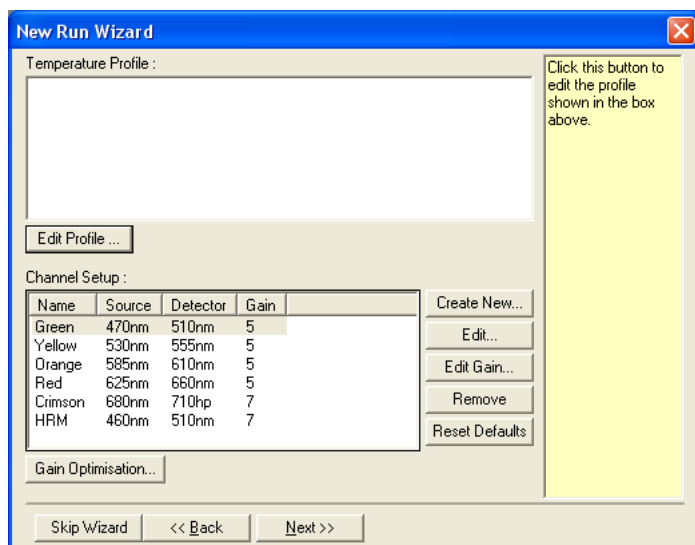
**Afbeelding 20. Het dialoogvenster 'New Run Wizard' (Wizard voor nieuwe run).** 1 = 'Rotor type' (Rotortype); 2 = selectievakje 'Locking Ring Attached' (Vergrendelingsring vastgezet); 3 = 'Next' (Volgende).

4. Voer de naam van de gebruiker in. Voer eventuele opmerkingen in en voer voor het reactievolume 25 in. Controleer of achter 'Sample Layout' (Indeling van monsters) '1, 2, 3...' staat. Klik op 'Next' (Volgende) (afbeelding 21).



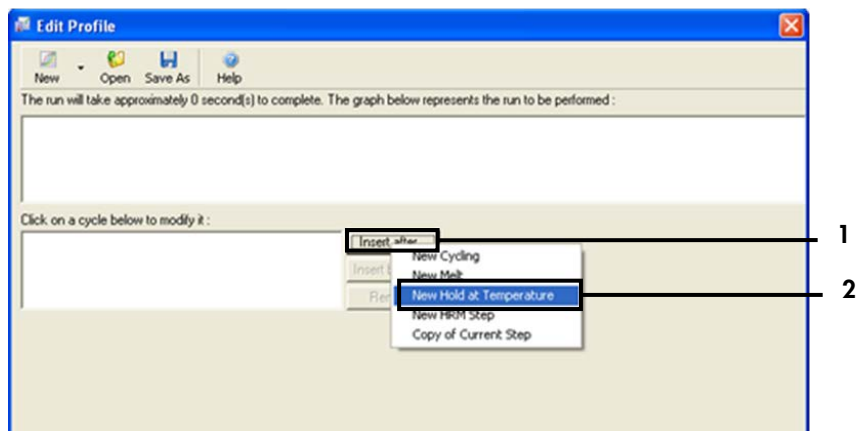
**Afbeelding 21. Invoeren van de naam van de gebruiker en het reactievolume.** 1 = dialoogveld 'Operator' (Gebruiker) en dialoogveld 'Notes' (Opmerkingen); 2 = veld 'Reaction Volume' (Reactievolume) en veld 'Sample Layout' (Monsterindeling); 3 = knop 'Next' (Volgende).

5. Klik in het dialoogvenster 'New Run Wizard' (Wizard voor nieuwe run) op 'Edit Profile' (Profiel bewerken) (afbeelding 22) en controleer de parameters van de run door middel van de volgende stappen.



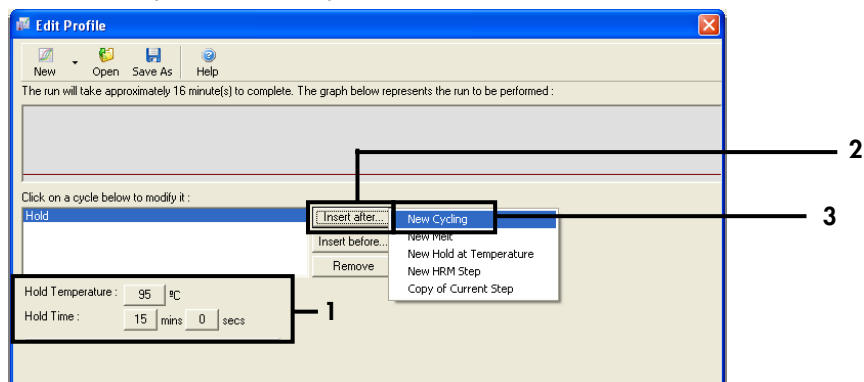
Afbeelding 22. 'Edit Profile' (Profiel bewerken) in de 'New Run Wizard' (Wizard voor nieuwe run).

- Klik op 'Insert after' (Invoegen na) en selecteer 'New Hold at Temperature' (Nieuwe constante temperatuur) (afbeelding 23).



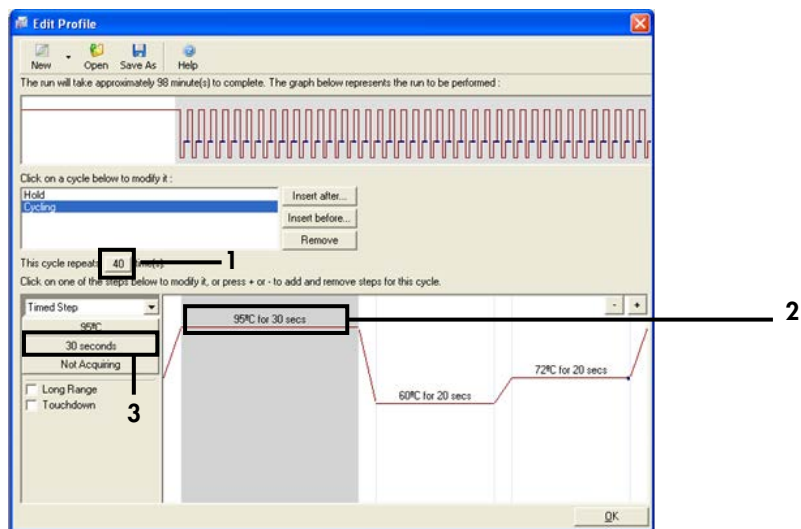
Afbeelding 23. Instellen van een eerste incubatiestap. 1 = 'Insert after' (Invoegen na); 2 = 'New Hold at Temperature' (Nieuwe constante temperatuur).

7. Stel 'Hold Temperature' (Constance temperatuur) in op 95 °C en 'Hold Time' (Duur van stap) op 15 min. 0 sec. Klik op 'Insert after' (Invoegen na) en selecteer 'New Cycling' (Nieuwe cyclus) (afbeelding 24).



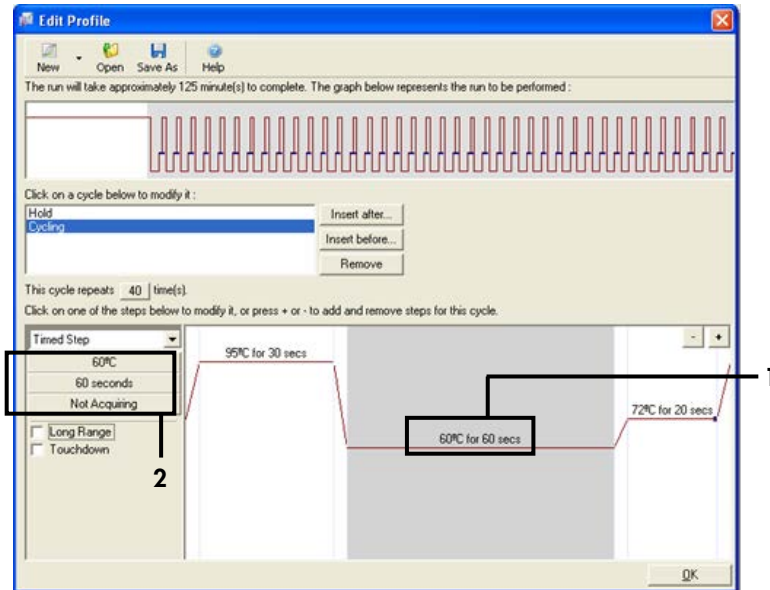
**Afbeelding 24. Eerste incubatiestap bij 95 °C.** 1 = 'Hold Temperature' (Constance temperatuur) en 'Hold Time' (Duur van stap); 2 = 'Insert after' (Invoegen na); 3 = 'New Cycling' (Nieuwe cyclus).

8. Zet het aantal herhalingen van de cyclus op 40. Selecteer de eerste stap en stel in op 95 °C gedurende 30 seconden (afbeelding 25).



**Afbeelding 25. Cycusstap bij 95 °C.** 1 = vakje 'Cycle repeats' (Herhalingen van cyclus); 2 = temperatuurinstelling voor eerste stap, 3 = tijdsinstelling voor eerste stap.

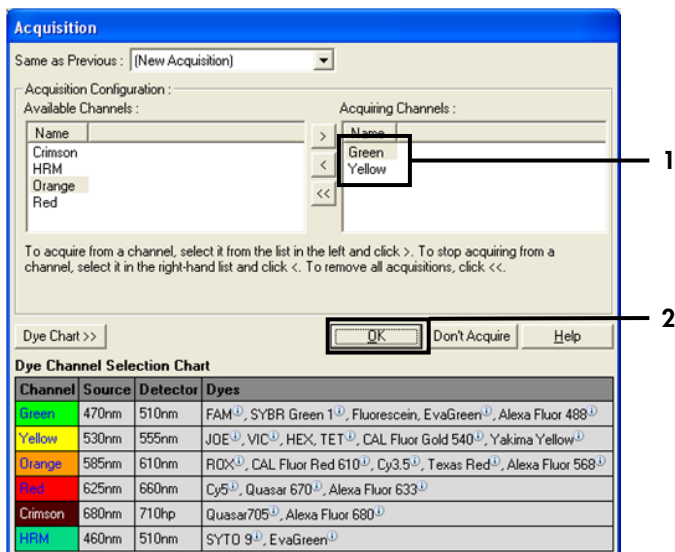
9. Markeer de tweede stap en stel de parameters in op 60 °C gedurende 60 seconden. Schakel de registratie van gegevens tijdens deze stap in door op 'Not Acquiring' (Geen registratie) te klikken (afbeelding 26).



**Afbeelding 26. Cyclusstap bij 60 °C.** 1 = instellingen voor tijd en temperatuur van tweede stap, 2 = knop 'Not Acquiring' (Geen registratie).

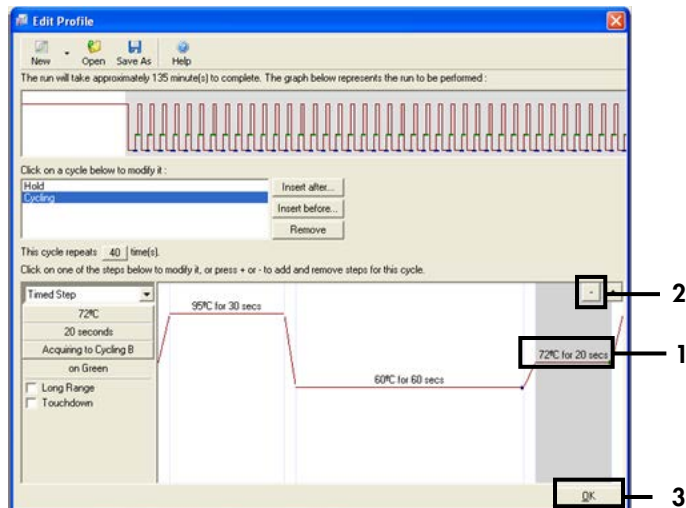
10. Stel de groene en de gele kanalen in als registratiekanalen door met behulp van '>' de kanalen 'Green' (Groen) en 'Yellow' (Geel) vanuit de lijst 'Available Channels' (Beschikbare kanalen) over te zetten. Klik op 'OK' (afbeelding 27).





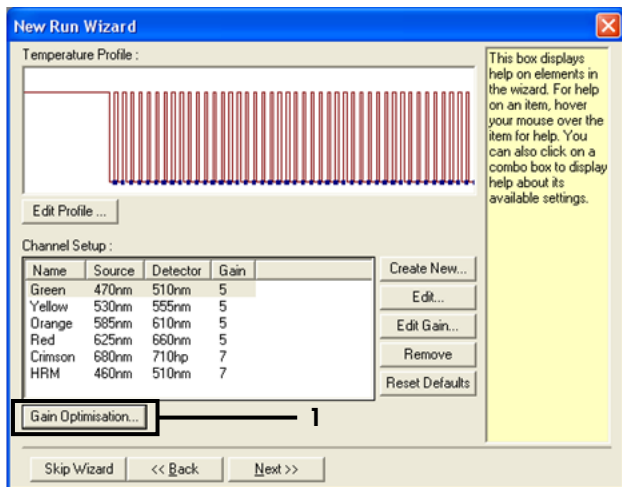
Afbeelding 27. Registratie tijdens de cyclusstap bij 60 °C. 1 = geselecteerde kanalen, 2 = 'OK'.

11. Markeer de derde stap en klik op '-' om deze stap te verwijderen. Klik op 'OK' (afbeelding 28).



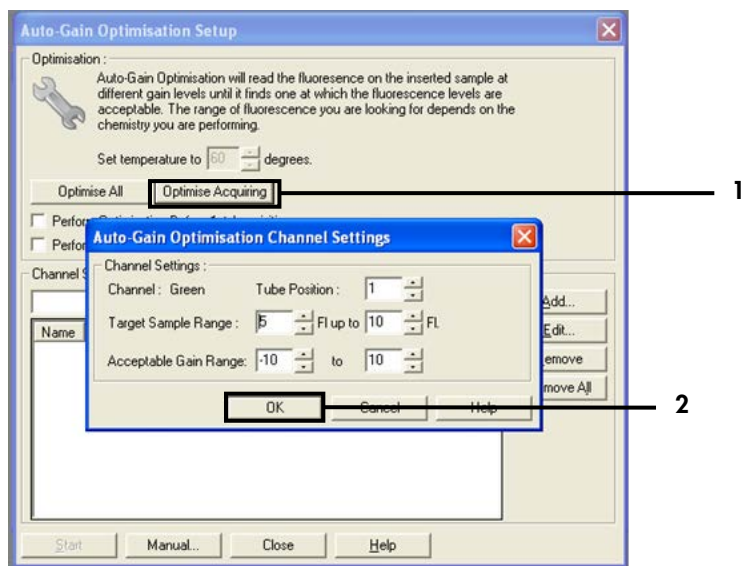
Afbeelding 28. Verwijderen van de extensiestap. 1 = derde stap, 2 = Verwijderen, 3 = 'OK'.

12. Klik in het volgende dialoogvenster op 'Gain Optimisation' (Gain-optimalisatie) (afbeelding 29).



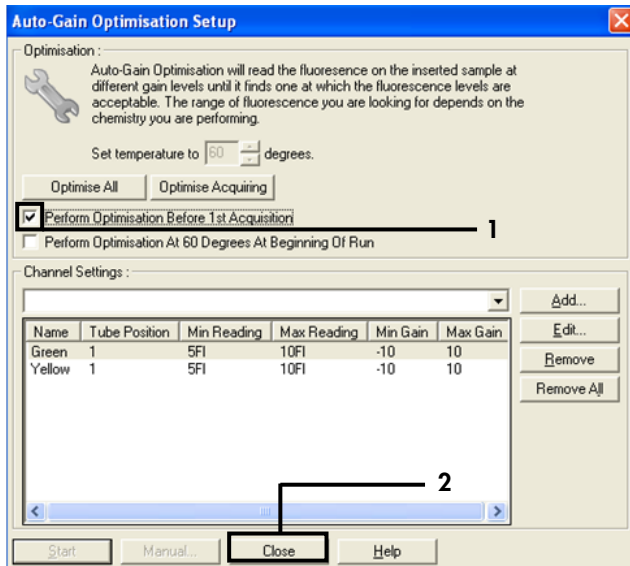
Afbeelding 29. 'Gain Optimisation' (Gain-optimalisatie) (1).

13. Klik op 'Optimise Acquiring' (Registratie optimaliseren). De instellingen voor elk kanaal worden weergegeven. Klik voor beide kanalen op 'OK' om deze standaardinstellingen te accepteren (afbeelding 30).



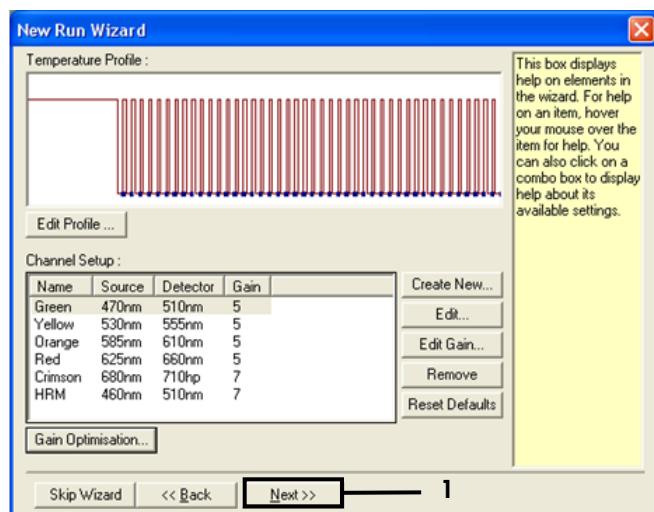
**Afbeelding 30. Automatische gain-optimalisatie voor het groene kanaal.** 1 = 'Optimise Acquiring' (Registratie optimaliseren), 2 = 'OK'.

14. Vink het vakje 'Perform Optimisation before 1st Acquisition' (Optimalisatie uitvoeren vóór 1e registratie) aan en klik vervolgens op 'Close' (Sluiten) om terug te gaan naar de wizard (afbeelding 31).



**Afbeelding 31. Selectie van het groene en het gele kanaal.** 1 = selectievakje 'Perform Optimisation Before 1st Acquisition' (Optimalisatie uitvoeren vóór 1e registratie); 2 = 'Close' (Sluiten).

15. Klik op 'Next' (Volgende) (afbeelding 32) om de sjabloon voor de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit (\*.ret-bestand) op de gewenste locatie op te slaan door 'Save Template' (Sjabloon opslaan) te selecteren.



Afbelding 32. 'Next' (Volgende) (1).

# Procedure (handmatig)

## Protocol: monsterbeoordeling (handmatig)

Dit protocol wordt gebruikt voor de beoordeling van het totale amplificeerbare DNA in monsters. Het moet worden doorlopen voorafgaand aan de EGFR-mutatie-analyse.

- Bereid de monsters zoals beschreven in 'Protocol: monsterbeoordeling' op pagina 22, tot stap 11.
- Zet de PCR-run op een Rotor-Gene Q MDx op volgens de beschrijving in 'Protocol: *opzetten* theascreen EGFR RGQ PCR-kit Rotor-Gene Q' op pagina 87.
- Analyseer na afloop van de run de gegevens volgens de instructies in 'Gegevensanalyse van monsterbeoordelingen' op pagina 93.

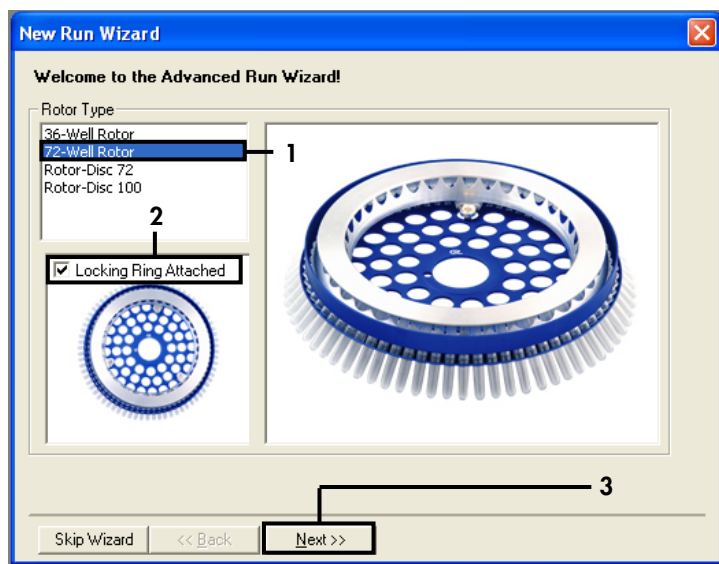
## Protocol: detectie van EGFR-mutaties (handmatig)

- Nadat een monster geschikt is bevonden voor analyse, kan het worden getest op eventuele EGFR-mutaties.
- Bereid de monsters zoals beschreven in 'Protocol: detectie van EGFR-mutaties' op pagina 35, tot stap 11.
- Zet de PCR-run op een Rotor-Gene Q MDx op volgens de beschrijving in 'Protocol: *opzetten* theascreen EGFR RGQ PCR-kit Rotor-Gene Q' op pagina 87.
- Analyseer na afloop van de run de gegevens volgens de instructies in 'Gegevensanalyse voor detectie van EGFR-mutaties' op pagina 95.

## Protocol: opzetten *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit Rotor-Gene Q

### Procedure

1. Open de Rotor-Gene Q-software versie 2.3 en open het gewenste temperatuurprofiel (\*.ret-bestand) voor de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit.  
Zie 'Protocol: een temperatuurprofiel aanmaken' op pagina 75 voor instructies voor het aanmaken van het temperatuurprofiel en het controleren van de parameters voor de run.
2. Controleer of de juiste rotor is geselecteerd en vink het vakje aan om te bevestigen dat de vergrendelingsring is vastgezet. Klik op 'Next' (Volgende) (afbeelding 33).



**Afbeelding 33.** Het dialoogvenster 'New Run Wizard' (Wizard voor nieuwe run) en beginscherm. 1 = 'Rotor type' (Rotortype); 2 = selectievakje 'Locking Ring Attached' (Vergrendelingsring vastgezet); 3 = 'Next' (Volgende).

3. Voer de naam van de gebruiker in. Voer eventuele opmerkingen in en controleer of het reactievolume is ingesteld op 25 en of achter 'Sample Layout' (Monsterindeling) '1, 2, 3...' staat. Klik op 'Next' (Volgende) (afbeelding 34).

**New Run Wizard**

This screen displays miscellaneous options for the run. Complete the fields, clicking Next when you are ready to move to the next page.

Operator :  — 1

Notes :  — 2

Reaction Volume (µL):  — 3

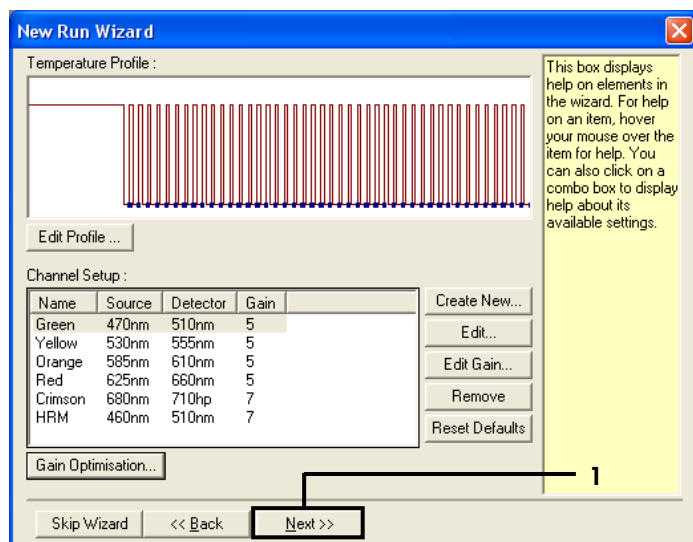
Sample Layout :  — 4

This box displays help on elements in the wizard. For help on an item, hover your mouse over the item for help. You can also click on a combo box to display help about its available settings.

**Afbeelding 34. Keuzescherf van de 'New Run Wizard' (Wizard voor nieuwe run).** 1 = 'Operator' (Gebruiker); 2 = veld 'Notes' (Opmerkingen); 3 = 'Reaction Volume' (Reactievolum); 4 = veld 'Sample Layout' (Monsterindeling); 5 = 'Next' (Volgende).

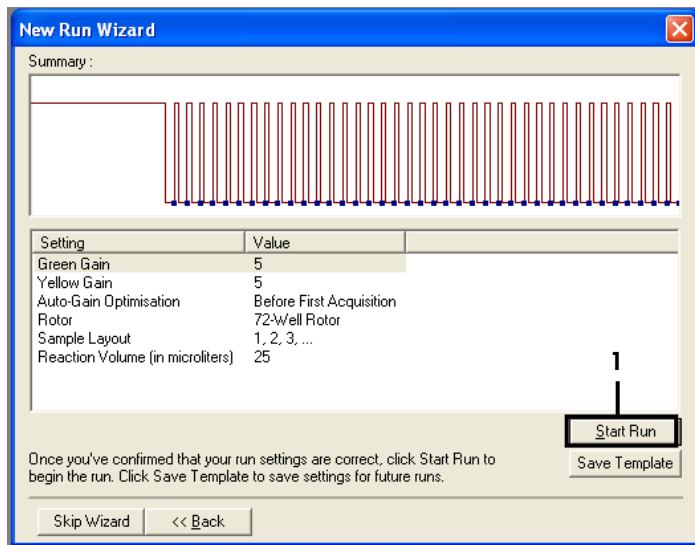
4. In het volgende venster kan het temperatuurprofiel worden aangepast. (Er zijn geen aanpassingen nodig, omdat het temperatuurprofiel is aangemaakt volgens de instructies in 'Protocol: een temperatuurprofiel aanmaken', pagina 75.) Klik op 'Next' (Volgende) (Afbeelding 35).





**Afbeelding 35.** Het dialoogvenster 'New Run Wizard' (Wizard voor nieuwe run) en het scherm voor aanpassen van de temperatuur (1 = 'Next' [Volgende]).

5. Controleer of de gegevens in het overzicht kloppen en klik op 'Start Run' (Run starten) om het run-bestand op te slaan en de run te starten (afbeelding 36).



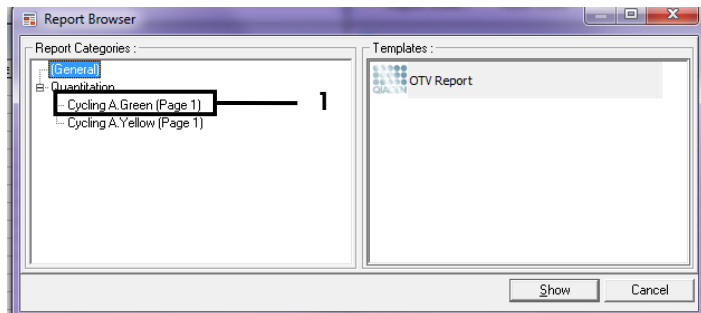
Afbeelding 36. Het dialoogvenster 'New Run Wizard' (Wizard voor nieuwe run) en het overzichtsscherm (1 = 'Next' [Volgende]).

6. Nadat de run is gestart, verschijnt er een nieuw venster. Hierin kunt u de namen van de monsters meteen invoeren. U kunt ook op 'Finish' (Voltooien) klikken en de namen later invoeren door tijdens of na afloop van de run de knop 'Sample' (Monster) te selecteren.
7. Als u op 'Finish and Lock Samples' (Voltooien en monsters vergrendelen) klikt, kunnen de namen van de monsters niet meer worden aangepast. De gebruiker dient bijzonder zorgvuldig te werk te gaan bij het invoeren van namen van monsters, zodat op alle monsters de juiste tests en analyses worden uitgevoerd.

**Opmerking:** laat bij het invoeren van de namen de velden in de kolom 'Name' (Naam) leeg voor lege buisjes.

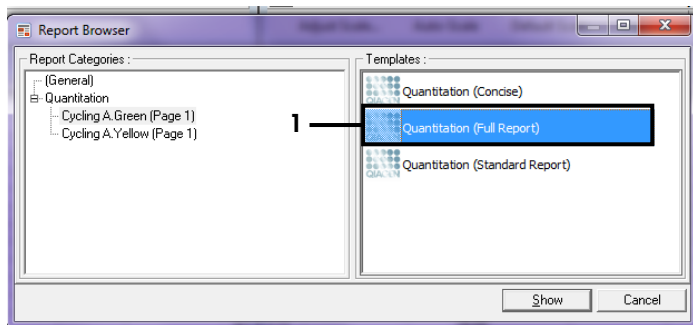
8. Analyseer na afloop van de run de gegevens zoals uitgelegd in 'Gegevensanalyse van monsterbeoordelingen' op pagina 93 of 'Gegevensanalyse voor detectie van EGFR-mutaties' op pagina 95.

9. Als er kwantificeringsrapporten nodig zijn, klik dan op het pictogram 'Reports' (Rapporten) op de werkbalk van het Rotor-Gene Q-runbestand.
10. Klik in de rapportagebrowser onder 'Report Categories' (Rapportcategorieën) op 'Cycling A Green (page 1)' (Cyclus A Groen [pagina 1]) (afbeelding 37).



Afbeelding 37. Rapportbrowser (1 = 'Cycling A. Green (Page 1)' (Cyclus A Groen [pagina 1])).

11. Selecteer onder 'Templates' (Sjablonen) 'Quantitation (Full Report)' (Kwantificering [volledig rapport]) (Afbeelding 38).



Afbeelding 38. 'Quantitation report (Full Report)' (Kwantificering [volledig rapport]) (1).

12. Klik op 'Show' (Weergeven) om het rapport aan te maken.
13. Klik op 'Save As' (Opslaan als) om een elektronische versie op te slaan.
14. Herhaal deze stappen voor 'Cycling A Yellow (Page 1)' (Cyclus A Geel [pagina 1]).

# Interpretatie van de resultaten (handmatig)

Nadat de run met de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit is voltooid (voor beoordeling van DNA-monsters of analyse van EGFR-mutaties) analyseert u de gegevens aan de hand van de volgende procedures:

- Software-instellingen voor analyse
- Analyse van de beoordeling van DNA-monsters (handmatig)  
**Opmerking:** zie Tabel 4 op pagina 25 voor de indeling van de buisjes
- Analyse van de detectie van EGFR-mutaties (handmatig)  
**Opmerking:** zie Tabel 7 op pagina 38 voor de indeling van de buisjes

## Software-instellingen voor analyse

1. Open het betreffende runbestand (\*.rex) met behulp van de Rotor-Gene Q-software versie 2.3.
2. Klik op 'Edit Samples' (Monsters bewerken) als deze vóór de run nog geen naam hadden gekregen.
3. Voer de namen van de monsters in de kolom 'Name' (Naam) in.  
**Opmerking:** vul niets in voor eventuele lege buisjes.
4. Klik op 'Analysis' (Analyse). Klik op de analysepagina op 'Cycling A Yellow' (Cyclus A Geel) om de gegevens van het gele kanaal (HEX) te bekijken.
5. Klik op 'Named On' (Naam ingevoerd).  
**Opmerking:** zo worden er geen lege buisjes in de analyse meegenomen.
6. Selecteer 'Dynamic tube' (Dynamisch buisje).
7. Selecteer 'Slope correct' (Hellingcorrectie).
8. Selecteer 'Linear scale' (Lineaire schaal).

9. Selecteer 'Take off Adj' (Aanp. ijkpunt) en voer in het bovenste vakje ('If take off point was calculated before cycle' [Als ijkpunt vóór cyclus is berekend]) de waarde 15,01 in en in het onderste vakje ('then use the following cycle and take off point' [gebruik dan volgende cyclus en ijkpunt]) de waarde 20,01.
10. Stel de limiet in op 0,02 en controleer de  $C_T$ -waarden voor het gele kanaal (HEX).
11. Klik op de analysepagina op 'Cycling A Green' (Cyclus A Groen) om de gegevens van het groene kanaal (FAM) te bekijken.
12. Selecteer 'Named On' (Naam ingevoerd).
13. Selecteer 'Dynamic tube' (Dynamisch buisje).
14. Selecteer 'Slope correct' (Hellingcorrectie).
15. Selecteer 'Linear scale' (Lineaire schaal).
16. Selecteer 'Take off Adj' (Aanp. ijkpunt) en voer in het bovenste vakje ('If take off point was calculated before cycle' [Als ijkpunt vóór cyclus is berekend]) de waarde 15,01 in en in het onderste vakje ('then use the following cycle and take off point' [gebruik dan volgende cyclus en ijkpunt]) de waarde 20,01.
17. Stel de limiet in op 0,075 en controleer de  $C_T$ -waarden voor het groene kanaal (FAM).

## Gegevensanalyse van monsterbeoordelingen

Raadpleeg nadat de run voor het beoordelen van het DNA-monster is voltooid 'Software-instellingen voor analyse' op pagina 92 en analyseer de gegevens als volgt. (Zie Tabel 4 op pagina 25 voor de indeling van de buisjes.)

### Analyse van de runcontrole

#### Negatieve controle

Om er zeker van te zijn dat er geen contaminatie van de template aanwezig is, mag de  $C_T$ -waarde van de NTC in het groene kanaal (FAM) niet lager zijn dan 40.

Om er zeker van te zijn dat de run correct is opgezet, moet er in de NTC amplificatie zijn opgetreden met een waarde tussen 29,85 en 35,84 in het gele kanaal (HEX). De gespecificeerde waarden moeten binnen deze waarden vallen.

### **Positieve controle**

De  $C_T$ -waarde van de PC voor EGFR in het groene kanaal (FAM) moet tussen 28,13 en 34,59 vallen. Waarden buiten dit bereik duiden op een probleem bij het opzetten van de assay. De run is mislukt.

**Opmerking:** de gegevens van een monster mogen niet worden gebruikt als de negatieve of de positieve controle is mislukt.

### **Monsteranalyse**

Indien de controles van de run voor de beoordeling van DNA-monsters geldig zijn, kunt u verdergaan met de analyse. De  $C_T$ -waarde van de controle voor een monster moet binnen het bereik van 23,70 tot 31,10 vallen in het groene kanaal (FAM). Als de  $C_T$ -waarde voor een monster buiten dit bereik ligt, volg dan de aanwijzingen hieronder op.

- $C_T$ -waarde van controle-assay van monster  $< 23,70$   
Monsters met een  $C_T$ -waarde voor de controle-assay lager dan 23,70 (hoge concentratie DNA) overbelasten de mutatie-assay en moeten worden verdund. Om elke mutatie bij een lage concentratie te detecteren, moeten hooggeconcentreerde monsters worden verdund zodat de  $C_T$ -waarden binnen het bereik van 23,70 tot 31,10 vallen. Door verdunning van het monster-DNA neemt de  $C_T$ -waarde toe (een verdunning van 1:1 geeft een toename van de  $C_T$ -waarde van ongeveer 1,0). Gebruik voor het verdunnen van monsters het water uit de kit (water voor verdunning [Dil.]).
- $C_T$ -waarde van controle-assay van monster  $> 31,10$   
Bij monsters met een  $C_T$ -waarde van de controle-assay hoger dan 31,10 in het groene kanaal (FAM) wordt aangeraden een nieuwe extractie uit te voeren. Er is onvoldoende DNA-template in het uitgangsmateriaal aanwezig voor het detecteren van alle EGFR-mutaties bij de aangegeven limietwaarden voor de assay.

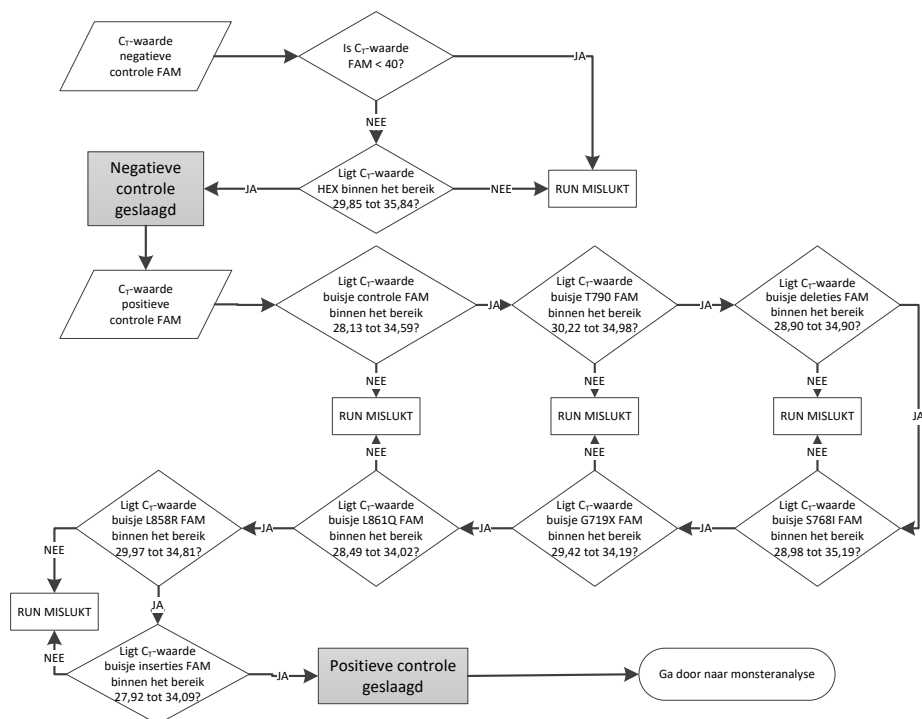
## Gegevensanalyse voor detectie van EGFR-mutaties

Het DNA van een monster moet eerst worden beoordeeld voordat het kan worden getest op EGFR-mutaties (zie 'Gegevensanalyse van monsterbeoordelingen' op pagina 93).

Raadpleeg nadat de run voor de detectie van EGFR-mutaties is voltooid 'Software-instellingen voor analyse' op pagina 92 en analyseer de gegevens als volgt. (Zie Tabel 7 op pagina 38 voor de indeling van de buisjes.)

### Analyse van de runcontrole

Zie het stroomschema voor analyse van de runcontrole in afbeelding 39.



Afbeelding 39. Stroomschema analyse van de runcontrole voor de detectie van EGFR-mutaties.

## Negatieve controle

Om er zeker van te zijn dat er geen contaminatie in de template aanwezig is, mag de  $C_T$ -waarde van de NTC voor elke EGFR-mutatie-assay in het groene kanaal (FAM) niet lager zijn dan 40.

Om er zeker van te zijn dat de run correct is opgezet, moet er in de NTC amplificatie zijn opgetreden met een waarde tussen 29,85 en 35,84 in het gele kanaal (HEX). De gespecificeerde waarden moeten binnen deze waarden vallen.

## Positieve controle

Voor elke EGFR-mutatie-assay moet de PC voor EGFR in het groene kanaal (FAM) een  $C_T$ -waarde opleveren binnen het bereik dat is aangegeven in Tabel 16. Waarden buiten dit bereik duiden op een probleem bij het opzetten van de assay. De run is mislukt.

**Opmerking:** de gegevens van de monsters mogen niet worden gebruikt als de negatieve of de positieve runcontrole is mislukt.

**Tabel 16. Aanvaardbare  $C_T$ -bereiken voor positieve controles voor reactie (assay voor detectie van EGFR-mutaties)**

Reactiemengsel	Monster	Kanaal	$C_T$ -bereik
Controle	PC	Groen	28,13 tot 34,59
T790M	PC	Groen	30,22 tot 34,98
Deleties	PC	Groen	28,90 tot 34,90
L858R	PC	Groen	29,97 tot 34,81
L861Q	PC	Groen	28,49 tot 34,02
G719X	PC	Groen	29,42 tot 34,19
S768I	PC	Groen	28,98 tot 35,19
Inserties	PC	Groen	27,92 tot 34,09



## Monsteranalyse – C<sub>T</sub>-waarde monstercontrole groen kanaal (FAM)

Indien de positieve en negatieve controles voor de run voor de detectie van EGFR-mutaties geldig zijn, kan verder worden gegaan met de detectie van EGFR-mutaties in monsters.

De C<sub>T</sub>-waarde van de controle voor een monster in het groene kanaal (FAM) moet tussen 23,70 en 31,10 vallen. (Zie tabel 7 op pagina 39 voor de indeling van de buisjes.)

Als de C<sub>T</sub>-waarde voor een monstercontrole buiten dit bereik ligt, volg dan de aanwijzingen hieronder op.

- C<sub>T</sub>-waarde van controle-assay van monster < 23,70

Monsters met een C<sub>T</sub>-waarde voor de controle-assay lager dan 23,70 (hoge concentratie DNA) overbelasten de mutatie-assay en moeten worden verdund. Om elke mutatie bij een lage concentratie te detecteren, moeten hooggeconcentreerde monsters worden verdund zodat de C<sub>T</sub>-waarden binnen het bereik van 23,70 tot 31,10 vallen. Door verdunning van het monster-DNA neemt de C<sub>T</sub>-waarde toe (een verdunning van 1:1 geeft een toename van de C<sub>T</sub>-waarde van ongeveer 1,0). Gebruik voor het verdunnen van monsters het water uit de kit (water voor verdunning [Dil.]).

- C<sub>T</sub>-waarde van controle-assay van monster > 31,10

Bij monsters met een C<sub>T</sub>-waarde van de controle-assay hoger dan 31,10 in het groene kanaal (FAM) wordt aangeraden een nieuwe extractie uit te voeren. Er is onvoldoende DNA-template in het uitgangsmateriaal aanwezig voor het detecteren van alle EGFR-mutaties bij de aangegeven limietwaarden voor de assay.

Raadpleeg het stroomschema voor de analyse voor monsters voor de detectie van EGFR-mutaties in afbeelding 40.



## Monsteranalyse – $C_T$ -waarde interne controle monster geel kanaal (HEX)

Raadpleeg het stroomschema voor de analyse voor monsters voor de detectie van EGFR-mutaties in afbeelding 40.

Van elk monster moeten alle buisjes worden geanalyseerd. Controleer of elk buisje een HEX-sigitaal genereert dat binnen het bereik van 29,85 tot 35,84 van de interne controle valt in het gele kanaal (HEX). Er zijn drie mogelijke uitkomsten:

- Indien de  $C_T$ -waarde van de interne controle lager is dan het gespecificeerde bereik ( $< 29,85$ ) voor enige mutatie-assay, is het resultaat ongeldig voor de amplificatie in het gele kanaal (HEX). De amplificatie in het gele kanaal (HEX) is voor dat buisje ongeldig.
- Indien de  $C_T$ -waarde van de interne controle binnen het gespecificeerde bereik (29,85 tot 35,84) valt, is het resultaat positief voor de amplificatie in het gele kanaal (HEX).

De amplificatie in het gele kanaal (HEX) is voor dat buisje geldig.

- Indien de  $C_T$ -waarde van de interne controle hoger is dan het gespecificeerde bereik ( $> 35,84$ ), is het resultaat negatief voor de amplificatie in het gele kanaal (HEX).

Indien er amplificatie heeft plaatsgevonden in het groene kanaal (FAM) en de  $\Delta C_T$ -waarde voor die reactie lager is dan of gelijk is aan de limietwaarde voor dat buisje, is de amplificatie in het gele kanaal (HEX) geldig. Indien er geen amplificatie voor het buisje heeft plaatsgevonden in het groene kanaal (FAM) of de  $\Delta C_T$ -waarde hoger is dan de limiet voor die assay, is de amplificatie in het gele kanaal (HEX) ongeldig.

De amplificatie van de interne controle in het gele kanaal (HEX) kan mislukken als gevolg van remming van de PCR. Verdunning van het monster kan het effect van remmende stoffen verminderen. Hierbij dient te worden opgemerkt dat in dit geval ook het doel-DNA in het monster wordt verdund. Gebruik voor het verdunnen van monsters het water uit de kit (water voor verdunning [Dil.]).

## Monsteranalyse – C<sub>T</sub>-waarde monster mutatie-assays groen kanaal (FAM)

De waarden voor alle zeven EGFR-mutatiereactiemengsels in het groene kanaal (FAM) moeten worden gecontroleerd aan de hand van de waarden in Tabel 17. De gespecificeerde waarden moeten binnen de weergegeven waarden vallen. (Zie Tabel 7 op pagina 38 voor de indeling van de buisjes.)

**Tabel 17. Aanvaardbare waarden voor EGFR-mutatiereacties in monsters in het groene kanaal (FAM) (assay voor de detectie van EGFR-mutaties)**

Assay	C <sub>T</sub> -bereik	Limietwaarde ( $\Delta C_T$ )
T790M	0,00 tot 40,00	$\leq 7,40$
Deleties	0,00 tot 40,00	$\leq 8,00$
L858R	0,00 tot 40,00	$\leq 8,90$
L861Q	0,00 tot 40,00	$\leq 8,90$
G719X	0,00 tot 40,00	$\leq 8,90$
S768I	0,00 tot 40,00	$\leq 8,90$
Inserties	0,00 tot 40,00	$\leq 8,00$

- Als de C<sub>T</sub>-waarde in het groene kanaal (FAM) voor het monster binnen het aangegeven bereik valt, is het positief voor FAM-amplificatie.
- Als de C<sub>T</sub>-waarde in het groene kanaal (FAM) voor het monster hoger is dan het aangegeven bereik of er geen amplificatie heeft plaatsgevonden, is het negatief voor FAM-amplificatie.

Bereken de  $\Delta C_T$ -waarde voor elk buisje voor de detectie van EGFR-mutaties dat positief is voor FAM-amplificatie als volgt. Let er daarbij op dat de C<sub>T</sub>-waarden van de mutatie-assay en de controle afkomstig zijn van hetzelfde monster. (Zie Tabel 7 op pagina 38 voor de indeling van de buisjes.)

$$\Delta C_T = [C_T\text{-waarde van de mutatie-assay}] - [C_T\text{-waarde van de controle-assay}]$$

Vergelijk de  $\Delta C_T$ -waarde voor het monster met de limietwaarde voor de desbetreffende assay (Tabel 17). Zorg ervoor dat de juiste limietwaarde wordt gebruikt.

De limietwaarde is de waarde waarboven een positief signaal voor een assay mogelijk veroorzaakt kan zijn door het achtergrondsignaal van de ARMS-primer op wild-type DNA. Als de  $\Delta C_T$ -waarde van het monster hoger is dan de limietwaarde voor een assay, wordt het monster geclassificeerd als negatief of buiten de detectielimieten van de kit voor die assay.

De status van elke mutatiereactie voor elk monster kan zijn:

- Mutatie gedetecteerd
- Mutatie niet gedetecteerd
- Ongeldig

### **Mutatie gedetecteerd**

De amplificatie in het groene kanaal (FAM) is positief en de  $\Delta C_T$ -waarde is gelijk aan of lager dan de limietwaarde. Als er meerdere mutaties zijn gedetecteerd voor een monster, kunnen deze alle worden gerapporteerd.

### **Mutatie niet gedetecteerd**

De amplificatie in het groene kanaal (FAM) is positief en de  $\Delta C_T$ -waarde is hoger dan de limietwaarde.

De amplificatie in het groene kanaal (FAM) is negatief en de amplificatie in het gele kanaal (HEX) (interne controle) is positief.

---

## Ongeldig

De amplificatie in het gele kanaal (HEX) (interne controle) is ongeldig.

De amplificatie in het groene kanaal (FAM) is negatief en de amplificatie in het gele kanaal (HEX) (interne controle) is negatief.

**Opmerking:** een monster kan negatief zijn voor amplificatie in het gele kanaal (HEX) in het ene buisje, maar positief voor amplificatie in het groene kanaal (FAM) in een tweede buisje. In dat geval kan het resultaat 'mutatie gedetecteerd' in het tweede buisje als geldig worden beschouwd, maar mogelijk is de geïdentificeerde mutatie niet de enige mutatie in dat monster.

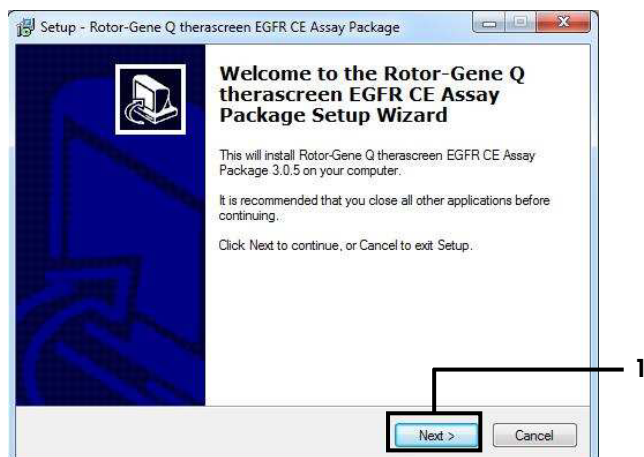
## Appendix B: Installatie van het *therascreen* EGFR CE Assay Package

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit is ontwikkeld voor gebruik met het Rotor-Gene Q MDx-instrument en een rotor met 72 plaatsen. Het *therascreen* EGFR CE Assay Package is afzonderlijk verkrijgbaar op cd (cat. nr. 9023537). Het assaypakket bevat de '*therascreen* EGFR CE Control Run Locked Template' en '*therascreen* EGFR CE Locked Template'.

**Opmerking:** het *therascreen* EGFR CE Assay Package is uitsluitend compatibel met Rotor-Gene Q-software versie 2.3. Zorg ervoor dat de juiste versie van de Rotor-Gene Q-software is geïnstalleerd voordat u het *therascreen* EGFR CE Assay Package installeert. Indien uw Rotor-Gene Q MDx-instrument is geleverd met een eerdere softwareversie, werkt u deze bij door Rotor-Gene Q-softwareversie 2.3 te downloaden van de productpagina voor de Rotor-Gene Q MDx, in het gedeelte 'Product Resources' (Productmaterialen) onder 'Operating Software' (Gebruikssoftware), zie [www.qiagen.com/shop/automated-solutions/pcr-instruments/rotor-gene-q-mdx/#resources](http://www.qiagen.com/shop/automated-solutions/pcr-instruments/rotor-gene-q-mdx/#resources).

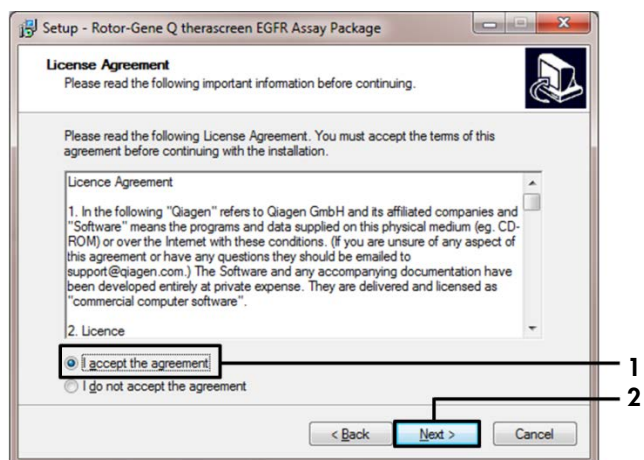
### Procedure

1. Bestel de cd met het *therascreen* EGFR CE Assay Package (cat. nr. 9023537).
2. Plaats de cd in het cd-station van de computer waarop het Rotor-Gene Q MDx-instrument is aangesloten.
3. Als de cd automatisch wordt geladen, start u de installatie door te dubbelklikken op het bestand '*therascreen*\_EGFR\_CE\_Assay\_Package\_3.0.5.exe'.  
U kunt dit uitvoerbare bestand ook zoeken in de bestandsbrowser op de aangesloten computer en het van daaruit opstarten.
4. De installatiewizard voor het *therascreen* EGFR CE Assay Package wordt geopend. Klik op 'Next' (Volgende) om verder te gaan (afbeelding 41).



Afbeelding 41. Het dialoogvenster 'Setup Wizard' (1 = 'Next' [Volgende]).

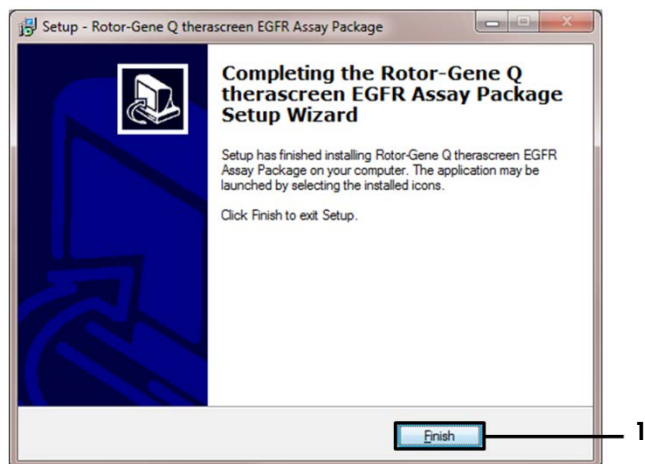
5. Lees de licentieovereenkomst in het dialoogvenster en vink het antwoord 'I accept the agreement' (Ik ga akkoord met deze overeenkomst) aan om akkoord te gaan met de overeenkomst. Klik op 'Next' (Volgende) om verder te gaan (Afbeelding 42).



Afbeelding 42. Het dialoogvenster 'License Agreement' (Licentieovereenkomst). 1 = 'I accept the agreement' (Ik ga akkoord met deze overeenkomst); 2 = 'Next' (Volgende).



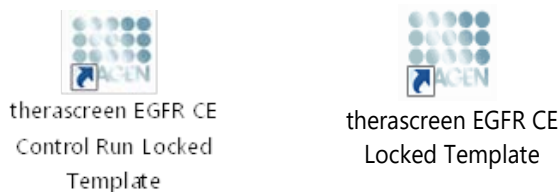
6. De installatie start automatisch. Nadat de installatie is voltooid, wordt er een laatste dialoogvenster van de installatiewizard geopend. Klik op 'Finish' (Voltooien) om de wizard te verlaten (Afbeelding 43).



Afbeelding 43. De installatiewizard afronden (1 = 'Finish' [Voltooien]).

7. Start de computer opnieuw op.

Er worden automatisch snelkoppelingen naar de programma's '*thetascreen* EGFR CE Control Run Locked Template' en '*thetascreen* EGFR CE Locked Template' aangemaakt en op het bureaublad geplaatst (afbeelding 44).



Afbeelding 44. Pictogrammen EGFR CE Control Run Locked Template en EGFR CE Locked Template.

---

## Contactgegevens

Ga voor technische ondersteuning en aanvullende informatie naar ons centrum voor technische ondersteuning op **[www.qiagen.com/Support](http://www.qiagen.com/Support)**. Ook kunt u bellen naar 00800-22-44-6000 of contact opnemen met een van de afdelingen voor technische diensten van QIAGEN of de plaatselijke distributeur (zie achterzijde of ga naar **[www.qiagen.com](http://www.qiagen.com)**).

# Bestelgegevens

Product	Inhoud	Cat.nr.
<i>therascreen</i> EGFR RGQ PCR Kit (24)	Voor 24 reacties: Controle-assay, 7 mutatie-assays, positieve controle, <i>Taq</i> DNA-polymerase, water voor NTC en water voor monsterverdunning	874111
<i>therascreen</i> EGFR Assay Package CD	Softwareprotocolpakket voor gebruik met de <i>therascreen</i> EGFR RGQ PCR-kit en het QIAGEN Rotor-Gene Q MDx-instrument	9023537
<b>QIAamp DNA FFPE-weefselkit</b>		
QIAamp DSP DNA FFPE Tissue Kit (50)	Voor 50 DNA-bereidingen: QIAamp MinElute®-kolommen, proteïnase K, buffers, afnamebuisjes (2 ml)	60404
QIAamp DNA FFPE Tissue Kit (50)	Voor 50 bereidingen: 50 QIAamp MinElute-kolommen, proteïnase K, buffers, afnamebuisjes (2 ml)	56404
<b>Rotor-Gene Q MDx en accessoires</b>		
Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM System	Real-time PCR-cycler en uitsmeltanalysator met hoge resolutie met 5 kanalen (groen, geel, oranje, rood, paars) plus HRM-kanaal, laptop, software, accessoires, 1 jaar garantie op onderdelen en arbeid, installatie en training	9002033

Product	Inhoud	Cat.nr.
Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM Platform	Real-time PCR-cycler en uitsmeltanalysator met hoge resolutie met 5 kanalen (groen, geel, oranje, rood, paars) plus HRM-kanaal, laptop, software, accessoires. Inclusief 1 jaar garantie op onderdelen en arbeid, exclusief installatie en training	9002032
Loading Block 72 x 0.1ml Tubes	Aluminium blok voor handmatig opzetten van reacties met een 1-kanaals pipet in 72 buisjes van 0,1 ml	9018901
Strip Tubes and Caps, 0.1ml (250)	250 strips met 4 buisjes en dopjes voor 1000 reacties	981103
Strip Tubes and Caps, 0.1ml (2500)	10 x 250 strips met 4 buisjes en dopjes voor 10.000 reacties	981106

Zie voor actuele informatie over licenties en productspecifieke disclaimers de handleiding of gebruikershandleiding van de betreffende QIAGEN-kit. Handleidingen en gebruikershandleidingen van QIAGEN-kits zijn verkrijgbaar via [www.qiagen.com](http://www.qiagen.com) of kunnen worden aangevraagd bij de technische dienst van QIAGEN of bij uw plaatselijke distributeur.

# Revisiegeschiedenis handleiding

Document	Wijzigingen	Datum
HB-1909-002	LOD-waarden (tabel 11) bijgewerkt in 'Prestatiekenmerken'.	Juni 2015
HB-1909-003	Softwarewaarschuwingen voor assay bijgewerkt (tabel 8). Gegevens reproduceerbaarheid van assay bijgewerkt (tabel 12). Klinische uitkomstgegevens voor IRESSA toegevoegd in 'Prestatiekenmerken'.	Augustus 2016
HB-1909-004	Bewaartijd bij opzetten gewijzigd ter verduidelijking van de ontdooitijd en totale tijd in 'Opslagomstandigheden' en tabel 2 en 5. Afbeelding 40 bijgewerkt. Stroomschema monsteranalyse voor de detectie van EGFR-mutaties. Bestelinformatie toegevoegd voor de QIAamp® DSP DNA FFPE-weefselkit (cat. nr. 60404)	Maart 2018
HB-1909-005	Toevoeging van Bevoegde vertegenwoordiger (voorblad). Paragraaf 'Symbolen' bijgewerkt.	Januari 2019

Handelsmerken: QIAGEN®, Sample to Insight®, QIAamp®, MinElute®, Rotor-Gene®, Scorpions®, *therascreen*® (QIAGEN Group); FAM™, HEX™ (Thermo Fisher Scientific Inc.); GIOTRIF® (Boehringer Ingelheim), IRESSA® (AstraZeneca Group)

De *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit is een diagnostische kit met CE-markering in overeenstemming met de Europese Richtlijn 98/79/EG betreffende medische hulpmiddelen voor in-vitrodiagnostiek. Niet in alle landen verkrijgbaar.

#### **Beperkte licentieovereenkomst voor de *therascreen* EGFR RGQ PCR-kit**

Door dit product te gebruiken, verklaart de koper of gebruiker zich akkoord met de volgende voorwaarden:

1. Het product mag uitsluitend worden gebruikt in overeenstemming met de protocollen die bij het product zijn meegeleverd en deze handleiding, en mag alleen worden gebruikt met componenten in het panel. QIAGEN geeft onder haar intellectuele eigendom geen licentie om de bijgesloten componenten van dit panel te gebruiken of samen te voegen met componenten die niet bij dit panel zijn meegeleverd, behalve zoals beschreven in de protocollen die bij het product zijn meegeleverd, in deze handleiding en in aanvullende protocollen die beschikbaar zijn op [www.qiagen.com](http://www.qiagen.com). Enkele van deze aanvullende protocollen zijn door QIAGEN-gebruikers beschikbaar gesteld voor QIAGEN-gebruikers. Deze protocollen zijn niet uitgebreid door QIAGEN getest of geoptimaliseerd. QIAGEN garandeert deze protocollen niet en kan evenmin waarborgen dat ze geen rechten van derden schenden.
2. Anders dan uitdrukkelijk gesteld in licenties, garandeert QIAGEN niet dat dit panel en/of het gebruik ervan geen rechten van derden schenden.
3. Dit panel en de onderdelen ervan worden in licentie gegeven voor eenmalig gebruik en mogen niet worden hergebruikt, opgeknapt of doorverkocht.
4. QIAGEN doet in het bijzonder afstand van enige andere, uitdrukkelijke of impliciete, licenties anders dan de uitdrukkelijk gestelde.
5. De koper en gebruiker van het panel gaan ermee akkoord dat zij geen stappen ondernemen en niemand anders toestaan stappen te ondernemen die tot bovenstaande verboden handelingen kunnen leiden of deze vergemakkelijken. QIAGEN kan de verbodsbepalingen in deze Beperkte licentieovereenkomst afdwingen bij de rechter en zal alle onderzoekskosten en gerechtelijke kosten verhalen, inclusief advocaatkosten, bij elke handeling om deze Beperkte licentieovereenkomst of een intellectueel eigendomsrecht met betrekking tot de kit en/of de componenten ervan af te dwingen.

Zie voor bijgewerkte licentievoorwaarden [www.qiagen.com](http://www.qiagen.com).

HB-1909-005 01-2019 © 2019 QIAGEN, alle rechten voorbehouden.

---

## Opmerkingen

---

Bestellen [www.qiagen.com/shop](http://www.qiagen.com/shop) | Technische ondersteuning [support.qiagen.com](http://support.qiagen.com) | Website [www.qiagen.com](http://www.qiagen.com)